

口頭発表

第1日目 9月7日(土) 9:00 ~ 12:00

時間	C会場	D会場
	一次代謝	その他
9:00	<p>1Ca-01 シアノバクテリア中心代謝動的モデルを用いた光合成暗反応制御機構の解析 Ensemble modeling of cyanobacteria metabolism ○松田 史生、西口 大貴、永井 暉、清水 浩(大阪大学大学院 情報科学研究科)</p>	<p>1Da-01 植物の色を測る Measuring the color of plants ○笠島 一郎(岩手大学 次世代アグリノベーション研究センター)</p>
9:12	<p>1Ca-02 ヤセウツボのプランテオース代謝に関わるα-ガラクトシダーゼの解析 Analysis of α-galactosidase involved in planteose metabolism in <i>Orobanche minor</i> ○岡澤 敦司^{1,2}、馬場 敦也¹、岡野 ひかる¹、若林 孝俊^{2,3}、杉本 幸裕^{2,3}、太田 大策¹(¹大阪府立大学大学院 生命環境科学研究科、²JST/JICA SATREPS、³神戸大学大学院 農学研究科)</p>	<p>1Da-02 大豆種子発現系を用いた小麦種子貯蔵タンパク質の細胞内輸送機構の解析 Analysis of the mechanism of intracellular transport of wheat seed storage proteins using soybean expression system ○松岡 祐樹¹、前田 一貴²、奥田 英子¹、山田 哲也³、丸山 伸之¹(¹京都大学 農学研究科、²京都大学 農学部、³北海道大学 農学研究院)</p>
		成長制御
9:24	<p>1Ca-03 窒素欠乏条件で高成長を示すシロイヌナズナ野生系統間の窒素応答性の比較解析 Phenotypic comparison of nitrogen responses among <i>Arabidopsis thaliana</i> ecotypes with large biomass under nitrogen deficient conditions ○馬淵 敦士¹、門田 慧奈¹、井内 聖²、小林 正智²、祢宜 淳太郎¹、櫻庭 康仁³、柳澤 修一³、射場 厚¹(¹九州大学大学院 理学研究院、²理化学研究所 バイオリソース研究センター 実験植物開発室、³東京大学 生物生産工学研究センター)</p>	<p>1Da-03 シロイヌナズナの種子特異的なスフィンゴ糖脂質は種子サイズの制御に関与する Seed-specific glycosphingolipid is a novel determinant of seed size in Arabidopsis ○石川 寿樹、小野田 瑞希、川合 真紀(埼玉大学大学院 理工学研究科)</p>
9:36	<p>1Ca-04 デンプン生合成関連遺伝子の変異が糖脂質組成に与える影響の解析 Relationship on the starch metabolism and glycolipid profile in the leaves of <i>Arabidopsis</i> ○岡咲 洋三^{1,2}、高野 耕司²、西澤 具子²、齊藤 和季^{2,3}(¹三重大学大学院生物資源学研究科、²理化学研究所 環境資源科学研究センター、³千葉大学 大学院薬学研究科)</p>	<p>1Da-04 <i>Graptopetalum paraguayense</i>の植物体再生におけるオーキシンの影響 Effects of auxin on asexual reproduction of <i>Graptopetalum paraguayense</i> ○田巻 太志、下村 講一郎、梅原 三貴久(東洋大学 大学院 生命科学研究所)</p>
9:48	<p>1Ca-05 イネ品種間におけるシュウ酸蓄積の比較解析 Comparative analysis of oxalate accumulation in rice cultivars ○宮城 敦子¹、安達 俊輔²、大川 泰一郎²、川合 真紀¹(¹埼玉大学 大学院理工学研究科、²東京農工大・院・農)</p>	<p>1Da-05 栄養欠乏に応答した葉身屈曲にストリゴラクトンが与える影響 Effect of strigolactone on leaf angle changing in response to nutrient deficiency ○進藤 真登、下村 講一郎、梅原 三貴久(東洋大・院・生命科学)</p>

口頭発表

第1日目 9月7日(土) 9:00~12:00

時間	C会場	D会場
10:00	<p>1Ca-06 セリン生合成酵素3-ホスホグリセリン酸デヒドロゲナーゼのゼニゴケにおける生理的役割の解明 Physiological roles of the serine biosynthetic enzyme 3-phosphoglycerate dehydrogenase in <i>Marchantia polymorpha</i> 大高きぬ香^{1,2}、多部田 弘光^{1,3}、明石 寛道^{1,2}、桑原 亜由子¹、西浜 竜一⁴、松田 頼子⁴、岡村 英治¹、Ali Ferjani⁵、河内 孝之⁴、○平井 優美^{1,2} (理化学研究所 環境資源科学研究センター、²名古屋大学 大学院生命農学研究科、³東京学芸大学 大学院教育学研究科、⁴京都大学 大学院生命科学研究科、⁵東京大学 大学院総合文化研究科)</p> <p style="text-align: center;">環境応答・環境修復</p>	<p>1Da-06 DNA倍加を誘導する新規なエピジェネティック制御系の解析 Epigenetic factors controlling the induction of DNA polyploidization ○高塚 大知、梅田 正明 (奈良先端科学技術大学院大学 先端科学技術研究科)</p>
10:12	<p>1Ca-07 CO₂濃縮に関わるデンプン結合性因子の同定とCRISPR/Cas9による遺伝子破壊 Identification of starch-binding factor involved in CO₂-concentrating mechanism and its gene disruption by CRISPR/Cas9 system ○嶋村 大亮、新川 友貴、山野 隆志、福澤 秀哉 (京都大学大学院 生命科学研究科)</p>	<p>1Da-07 シロイヌナズナのEFMを介した開花制御機構の解析 Analysis of EFM-mediated control of flowering in <i>Arabidopsis thaliana</i> ○吉田 安佑¹、山口 愛美¹、神谷 岳洋²、藤原 徹²、榎本 裕介¹ (廣尾学園高等学校、²東大院・農)</p> <p style="text-align: center;">発生分化・形態形成</p>
10:24	<p>1Ca-08 コケ植物独自のスフィンゴ脂質構造を形成する長鎖塩基Δ8不飽和化酵素の機能解析 Functional analysis of long chain base Δ8 desaturase that forms unique sphingolipid structure of bryophytes ○小川 洋佑、石川 寿樹、宮城 敦子、山口 雅利、川合 真紀 (埼玉大学大学院 理工学研究科)</p>	<p>1Da-08 フロリゲン複合体形成を制御する化合物による花成調節 Chemical regulation of flowering by controlling the formation of florigen complex ○岡岡 健一郎¹、河原 郁美²、島谷 善平^{3,4}、寺田 理枝⁴、辻 寛之¹、尾嶋 長次郎^{2,5} (横浜市立大学 木原生物学研究所、²大阪大学 蛋白質研究所、³神戸大学大学院 科学技術イノベーション研究科、⁴名城大学大学院 農学研究科、⁵横浜国立大学大学院 工学研究院)</p>
10:36	<p>1Ca-09 イネのアルミニウム耐性におけるスフィンゴ脂質cis/trans異性体の機能差異 Roles of cis/trans isomer of sphingolipid for aluminum tolerance in Rice ○佐藤 正弥¹、石川 寿樹¹、長野 稔²、山口 雅利¹、川合 真紀¹ (埼玉大・院・理工、²立命館大・生命科学・生命情報)</p>	<p>1Da-09 リボソーム生合成因子ARPF2とその相互作用因子ARRS1が植物の形態形成に果たす役割の解析 Analysis of the role of ribosome biosynthesis factor ARPF2 and its interactor ARRS1 in plant morphology in <i>Arabidopsis thaliana</i> ○前川 修吾^{1,2}、植田 佳明²、柳澤 修一² (立教大学 理学部 生命理学科、²東京大学 生物生産工学研究センター)</p>
10:48	<p>1Ca-10 シロイヌナズナのペルオキシソーム局在性NADキナーゼの欠損は光呼吸に影響を与える Loss of peroxisomal NAD kinase affects photorespiration in <i>Arabidopsis</i> ○田中 大夢¹、鈴木 渉太¹、宮城 敦子¹、河野 優²、石川 寿樹¹、山口 雅利¹、川合 真紀¹ (埼玉大学大学院 理工学研究科、²東大院理)</p>	<p>1Da-10 センサードメイン非依存的なIRE1活性化がシロイヌナズナの発達に与える影響 Effect of sensor domain-independent IRE1 activation on <i>Arabidopsis</i> development ○三柴 啓一郎、岩田 雄二、望月 知史、松村 篤、西岡 七海、平田 梨佳子、小泉 望 (大阪府立大学大学院 生命環境科学研究科)</p>

口頭発表

第1日目 9月7日(土) 9:00~12:00

時間	C会場	D会場
11:00	<p>1Ca-11</p> <p>機械刺激が誘導する局所的ROS生成におけるNADPHオキシダーゼRbohFの役割</p> <p>Mechanical stimuli-induced local ROS production is dependent on the NADPH oxidase RbohF in <i>Arabidopsis thaliana</i></p> <p>○田川 翔大、山岡 征矢、後藤 遼子、椎名 隆 (京都府立大学大学院 生命環境科学研究科)</p>	<p>1Da-11</p> <p>シロイヌナズナの葉の発生に関わるAS2の核内局在における核小体タンパク質RNA HELICASE10の役割の解析</p> <p>The role of a nucleolar protein RNA HELICASE10 for nuclear localization of AS2 in leaf development of <i>Arabidopsis thaliana</i></p> <p>○安藤 沙友里¹、岩井 雅斗²、小島 晶子¹、町田 泰則³、町田 千代子¹ (¹中部大学大学院 応用生物学研究科、²中部大学 応用生物学科、³名古屋大学大学院 理学研究科)</p>
11:12	<p>1Ca-12</p> <p>オルガネラターゲットング技術開発によるバクテリアヒ素輸送体ArsBを利用したヒ素耐性および蓄積性植物の作製</p> <p>Preparation of arsenic resistant and accumulating plants using bacterial arsenic transporter ArsB by the development of organelle targeting technology</p> <p>○出呂町 祐典¹、西村 浩二²、清野 正子³、浦口 晋平³、佐藤 雅彦¹、平野 朋子¹ (¹京都府立大学大学院 生命環境科学研究科、²鳥根大学 生物資源科学部、³北里大学 薬学部)</p>	<p>1Da-12</p> <p>TCP転写因子による葉の形成制御の役割</p> <p>Roles of TCP transcription factors in leaf development</p> <p>○小山 知嗣¹、光田 展隆²、関 原明³、高橋 宏二^{4,5}、木下 俊則^{4,5}、高木 優⁶ (¹公益財団法人サントリー生命科学財団、²産業技術総合研究所・生物プロセス研究部門、³理化学研究所・環境資源科学研究センター、⁴名古屋大学大学院・理学研究科、⁵名古屋大学・トランスフォーマティブ生命分子研究所、⁶埼玉大学大学院・理工学研究科)</p>
11:24	<p>1Ca-13</p> <p>窒素栄養シグナルによる転写因子の翻訳後修飾と花成制御機構の解析</p> <p>Post-translational regulation of the flowering-related transcription factor in response to nitrogen availability in plants</p> <p>○佐藤 長緒¹、眞木 美帆¹、久保 晃生²、山口 淳二¹ (¹北海道大学大学院 理学研究院、²北大・理学部)</p>	<p>1Da-13</p> <p>正常な細胞分裂方向の決定には細胞分裂面でのシトステロール生合成が必須である</p> <p>Directional cell division in <i>Arabidopsis</i> is ensured by the production of β-sitosterol at the division plane</p> <p>○不破 綾香¹、海老根 一生^{2,3}、上田 貴志^{2,3}、太田 大策¹ (¹大阪府立大学大学院 生命環境科学研究科、²基礎生物学研究所 細胞動態研究部門、³総合研究大学院大学 生命科学研究所 基礎生物学専攻)</p>
11:36	<p>1Ca-14</p> <p>シロイヌナズナデハイドリンの乳酸脱水素酵素凍結保護活性における疎水性アミノ酸の役割</p> <p>Role of hydrophobic amino acids in the cryoprotective activity of <i>Arabidopsis</i> dehydrin for lactate dehydrogenase</p> <p>横山 知佳²、大久保 智博³、神谷 慶太³、○原 正和^{1,2,3} (¹静岡大学グリーン科学技術研究所、²静岡大学 農学部、³静岡大学大学院 総合科学技術研究科)</p>	<p>1Da-14</p> <p>GWASを用いてのオーキシン依存的な根の発生に関する新規制御因子の探索</p> <p>Identification of novel regulatory components of auxin-related root development using GWAS</p> <p>○小倉 岳彦^{1,2}、Daniele Filiault²、Christian Goeschl²、Busch Wolfgang^{1,2} (¹Salk 研究所、²GMI)</p>
11:48	<p>1Ca-15</p> <p>デハイドリンの凍結保護活性に対する疎水性アミノ酸の重要性</p> <p>Requirement of hydrophobic amino acids for cryoprotective activity of dehydrin</p> <p>○大久保 智博¹、神谷 慶太¹、亀山 阿由子¹、原 正和^{1,2} (¹静岡大学大学院 総合科学技術研究科、²静岡大学グリーン科学技術研究所)</p>	<p>1Da-15</p> <p>根毛側面における二次細胞壁成分の輸送メカニズムの解明</p> <p>Secretion system of secondary cell wall components in root hair</p> <p>○平野 朋子¹、海老根 一生²、上田 貴志²、佐藤 雅彦¹ (¹京都府立大学大学院 生命環境科学研究科、²基礎生物学研究所)</p>

口頭発表

第2日目 9月8日(日) 9:00~11:12

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
	有用物質生産	その他	英語	遺伝子解析
9:00	<p>2Aa-01</p> <p>植物における一過的タンパク質大量発現のための「つくばシステム」</p> <p>“Tsukuba system”, a transient protein expression system in plants</p> <p>○三浦 謙治¹、星川 健^{1,2}、江面 浩¹ (筑波大学 つくば機能植物イノベーション研究センター、²国際農林水産業研究センター)</p>	<p>2Ba-01</p> <p>細胞壁を有した植物細胞に対する細胞膜透過ペプチドを利用したタンパク質導入法</p> <p>Protein transport into plant cells with intact cell wall using cell-penetrating peptide</p> <p>○大村 昂誠、岩崎 崇、河野 強 (鳥取大学 持続性社会創生科学研究科)</p>	<p>2Ca-01</p> <p>Photoperiodic compensation: A mechanism underlying regulation of photosynthesis by circadian clock in <i>Arabidopsis thaliana</i></p> <p>○Tsuyoshi Mizoguchi, Kana Miyata (International Christian University)</p>	<p>2Da-01</p> <p>ホトトギス (<i>Tricyrtis</i> sp.) における花被の斑点形成に関連した新規R2R3-MYB遺伝子の単離</p> <p>Isolation of a novel R2R3-MYB gene related to tepal spot formation in <i>Tricyrtis</i> sp</p> <p>○渋谷 舞、印牧 雄亮、大谷 真広、中野 優 (新潟大学 農学部)</p>
9:12	<p>2Aa-02</p> <p>プロラミン-CTB融合タンパク質を発現する経口ワクチン米の解析</p> <p>Analysis of oral vaccine rice expressing prolamin-CTB fusion protein</p> <p>○松本 聡司¹、佐生 愛¹、吉川 陽香¹、森田 重人^{1,2}、沼本 穂¹、増村 威宏^{1,2} (京都府立大学大学院 生命環境科学研究科、²京都府農技セ・生資セ)</p>	<p>2Ba-02</p> <p>新規機能性ペプチドによる植物細胞への効率的な生体分子の導入</p> <p>Synthetic peptide-induced internalization of biomolecules into plant and algal cells</p> <p>○小田原 真樹¹、チュア ジョアン¹、児玉 豊²、宮本 昂明¹、土屋 康佑¹、沼田 圭司¹ (理化学研究所 環境資源環境研究センター バイオ高分子、²宇都宮大学 バイオサイエンス教育研究センター)</p>	<p>2Ca-02</p> <p>Integrated-omics guided analysis to study biosynthesis of specialized metabolites in <i>Cornus officinalis</i></p> <p>○Megha Rai¹, Amit Rai¹, Hidetaka Kamochi¹, Tetsuya Mori², Ryo Nakabayashi², Michimi Nakamura¹, Hideyuki Suzuki³, Mami Yamazaki¹, Kazuki Saito^{1,2} (Chiba University Graduate School of Pharmaceutical Sciences, ²RIKEN CSRS, ³Kazusa DNA Research Institute)</p>	<p>2Da-02</p> <p>ソナレシバとオオムギのクラスIIカリウムトランスポーターの機能比較</p> <p>Comparative functional analysis of class II potassium transporters from <i>Sporobolus virginicus</i> and barley</p> <p>○多田 雄一、大沼 愛姫 (東京工科大学 応用生物学部)</p>
9:24	<p>2Aa-03</p> <p>有用遺伝子高発現系の確立へ向けたコアプロモーター配列の解析</p> <p>Analysis of the core-promoter sequence elements for establishment of high-expression system in plants</p> <p>○川邊 陽文、山崎 将太郎、加藤 晃 (奈良先端大・バイオ)</p>	<p>2Ba-03</p> <p>Delivery of native proteins into rice callus using ionic complexes of protein and cell-penetrating peptides</p> <p>○Boyang Guo, Kenta Watanabe, Jun Itami, keiji Numata (RIKEN Center for Sustainable Resource Science Biomacromolecules reseach team)</p>	<p>2Ca-03</p> <p>Bioinformatics platform and <i>in vivo</i> functional analysis to reveal the key amino acid of CYP716 family in triterpenoid biosynthesis</p> <p>○Jutapat Romsuk¹, Ery Odette Fukushima^{1,2}, Shuhei Yasumoto¹, Hikaru Seki¹, Toshiya Muranaka¹ (Graduate School of Engineering, Osaka University, ²Universidad Regional Amazonica IKIAM)</p>	<p>2Da-03</p> <p>ムラサキ科植物の <i>in silico</i> 解析によるシコニン関連遺伝子の絞り込みとゲノム編集</p> <p>Screening of shikonin related genes by <i>in silico</i> analysis of <i>Boraginaceae</i> plants and genome editing</p> <p>○Hao Li¹、巽 奏¹、市野 琢爾¹、中安 大²、草野 博彰¹、下村 講一郎²、矢崎 一史¹ (京都大学大学院 生存圏研究所、²東洋大学大学院 生命科学研究所)</p>

口頭発表

第2日目 9月8日(日) 9:00~11:12

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
9:36	<p>2Aa-04</p> <p>植物mRNAの各コドンにおけるリボソームの伸長速度の網羅的な解析</p> <p>Genome wide analysis of ribosome stall/pausing at each codon in plant mRNA</p> <p>○伊藤 光佑、上野 大心、山崎 将太郎、出村 拓、加藤 晃 (奈良先端大 バイオ)</p>	<p>2Ba-04</p> <p>マクロピノサイトーシスの誘導とペプチド-DNA複合体の利用による植物細胞へのDNAの導入</p> <p>DNA delivery into plant cells via combinational use of a macropinocytosis-inducing peptide and a peptide-DNA complex</p> <p>○渡邊 健太、宮本 昂明、小田原 真樹、沼田 圭司 (理化学研究所 環境資源科学研究センター)</p>	<p>2Ca-04</p> <p>Comparative analysis of plant NADPH-cytochrome P450 reductase towards heterologous triterpenoid production in transgenic yeast</p> <p>○Pramesti Istiandari¹, Ery Odette Fukushima^{1,2}, Shuhei Yasumoto¹, Hikaru Seki¹, Toshiya Muranaka¹ (¹Graduate School of Engineering, Osaka University, ²Universidad Regional Amazonica IKIAM)</p>	<p>2Da-04</p> <p>植物ゲノム統合ポータルサイトPlantGARDENの開発と公開</p> <p>Development of plant genome portal site, PlantGARDEN</p> <p>○原田 大士朗¹、市原 寿子²、中谷 明弘²、ジェルフィ アンドレア¹、山田 学¹、小原 光代¹、平川 英樹¹、田畑 哲之¹、磯部 祥子¹ (¹公益財団法人かずさ DNA 研究所、²大阪大学大学院医学系研究科)</p>
	オミクス解析			
9:48	<p>2Aa-05</p> <p>mRNA翻訳状態の新規ゲノムワイド解析法を用いた単子葉型翻訳エンハンサーの探索</p> <p>Identification of effective translational enhancers in monocotyledonous plants using a novel method of genome-wide analysis</p> <p>○山崎 将太郎、鈴木 淳展、山野 泰彰、川邊 陽文、上野 大心、出村 拓、加藤 晃 (奈良先端大・バイオ)</p>	<p>2Ba-05</p> <p>ゲノム編集を目指した大気圧プラズマ照射による植物への直接タンパク質導入技術の改良</p> <p>Improvement of direct protein introduction into plants by plasma irradiation toward genome editing</p> <p>○柳川 由紀¹、末永 祐磨²、守屋 翔平²、飯島 勇介²、沖野 晃俊²、遠藤 真咲¹、加藤 悦子³、土岐 精一¹、光原 一朗¹ (¹農業・食品産業技術総合研究機構 生物機能利用研究部門、²東京工業大学 科学技術創成研究院 未来産業技術研究所、³農業・食品産業技術総合研究機構 高度解析センター)</p>	<p>2Ca-05</p> <p>Pathway-specific flavonoid B-ring hydroxylases involved in the biosynthesis of flavone C-glycosides and tricetin-lignins in rice</p> <p>○Pui Ying Lam¹, Andy C. W. Lui², Masaomi Yamamura¹, Lanxiang Wang², Yuri Takeda¹, Shiro Suzuki¹, Hongjia Liu³, Fu-Yuan Zhu⁴, Mo-Xian Chen⁵, Jianhua Zhang⁶, Toshiaki Umezawa¹, Yuki Tobimatsu¹, Clive Lo² (¹Research Institute for Sustainable Humanosphere, Kyoto University, ²School of Biological Sciences, The University of Hong Kong, ³Zhejiang Academy of Agricultural Sciences, ⁴Nanjing Forestry University, ⁵The Chinese University of Hong Kong, ⁶Hong Kong Baptist University)</p>	<p>2Da-05</p> <p>トマト単為結果性変異体のマルチオミクスデータ解析による単為結果メカニズムの解明</p> <p>Elucidation of the mechanism of parthenocarpy by using multi-omics analysis of tomato parthenocarpic mutants</p> <p>○神谷 健¹、福島 敦史³、羽尾 周平¹、篠崎 良仁²、森 哲哉³、三谷 由佳³、有泉 亨^{1,2}、江面 浩^{1,2}、草野 都^{1,2,3} (¹筑波大学大学院 生命環境科学研究科、²筑波大学 生命環境系、³理化学研究所 環境資源科学研究センター)</p>

口頭発表

第2日目 9月8日(日) 9:00~11:12

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
10:00	<p>2Aa-06</p> <p>mRNAの切断が導入遺伝子の蓄積mRNA量に与える影響の解析</p> <p>Analysis of the effect of mRNA cleavage on transgene mRNA accumulation</p> <p>○成瀬 つきひ、上野 大心、山崎 将太郎、出村 拓、加藤 晃 (奈良先端大 バイオ)</p>	<p>2Ba-06</p> <p>相同組換えと自律的マーカー削除システムによるイネのゲノム編集</p> <p>Genome engineering in rice by homologous recombination with autonomous marker elimination system</p> <p>○島谷 善平¹、松井 祐介²、Zhu Wencong³、片桐 直哉²、大平 洗²、木戸 将太²、河野 洋治³、荒川 征夫²、西田 敬二¹、島本 功⁴、寺田 理枝² (¹神戸大学大学院 科学技術イノベーション研究科、²名城大学大学院 農学研究科、³Shanghai Center for Plant Stress Biology, Chinese Academy of Sciences、⁴奈良先端科学技術大学院大学 バイオサイエンス研究科)</p>	<p>2Ca-06</p> <p>Asparaginyl-tRNA synthetase gene (<i>SYNC1</i>) characterized by <i>Lotus corniculatus</i> FOX-superroot lines has effects on plant morphology and amino acid contents of seed in soybean</p> <p>○Azeri Gautama Arifin¹、Takahiro Gondo²、Ryo Akashi¹ (¹Faculty of Agriculture, University of Miyazaki、²Frontier Science Research Center, University of Miyazaki)</p>	<p>2Da-06</p> <p>ディファレンシャルネットワークに基づく遺伝子機能予測</p> <p>Differential network-based approach for gene prioritization and predicting gene function</p> <p>○福島 敦史 (理化学研究所 環境資源科学研究センター)</p>
10:12	<p>2Aa-07</p> <p>mRNA安定性に関わる内部切断機構の植物間比較</p> <p>Comparison of internal mRNA cleavage related to mRNA stability among plant species</p> <p>○向田 堯史、上野 大心、山崎 将太郎、出村 拓、加藤 晃 (奈良先端大・バイオ)</p>	<p>2Ba-07</p> <p>ゲノム編集技術のリンドウへの適用</p> <p>Application of CRISPR/Cas9 genome editing to Japanese gentian plants</p> <p>○西原 昌宏¹、渡辺 藍子¹、後藤 史奈¹、吉田 千春¹、根本 圭一郎¹、高橋 重一¹、佐々木 伸大^{1,2}、高橋 秀行^{1,3}、田崎 啓介^{1,4} (¹(公財)岩手生物工学研究センター、²東洋大学・食環境科学部食環境科学科、³新潟大学自然科学系、⁴東京農業大学・農学部・農学科)</p>	<p>2Ca-07</p> <p>Development of radish sprout as a new host plant for "Tsukuba System" agroinfiltration</p> <p>○Junko Yasuda¹、Kenji Miura²、Sakihito Kitajima¹ (¹Applied Biology, Kyoto Institute of Technology、²Life and Environmental Science, the University of Tsukuba)</p>	<p>2Da-07</p> <p>WebシステムPODC: 知識情報・オミックス情報に基づく植物種間比較解析プラットフォーム</p> <p>The web system PODC: integrated analysis platform with knowledge-based information and omics data in model plants and crops</p> <p>○越水 静、齋藤 美沙、菅野 真麻、矢野 健太郎 (明治大学 農学部 生命科学科)</p>
	植物-微生物相互作用			
10:24	<p>2Aa-08</p> <p>根粒着生する非マメ科植物 <i>Parasponia</i>におけるLCO受容体の解析</p> <p>Functional characterization of LysM receptor like kinases in non-legume nodulating plants; <i>Parasponia</i></p> <p>○宮田 佳奈^{1,2}、Rutten Luuk²、Geurts Rene² (¹明治大学・農学部、²ワーゲニンゲン大学)</p>	<p>2Ba-08</p> <p>植物内在性プロモーターを導入した組換え植物体におけるメチル化制御の解析</p> <p>Analysis of DNA methylation of transgenic plants introduced an endogenous gene promoter</p> <p>○福澤 徳穂、厚見 剛、松尾 幸毅、松村 健 (産業技術総合研究所 生物プロセス研究部門)</p>	<p>2Ca-08</p> <p>Two PLAT / LH2 family proteins in plant latexes are involved in registance against pest</p> <p>○Hyrmeya Eric Savadogo¹、Yui Shiomi¹、Toshiharu Akino¹、kenji Miura²、Masamitsu Yamaguchi¹、Hideki Yoshida¹、Takanari Umegawachi¹、Ryo Tanaka¹、Dang Ngoc Anh Suong¹、Sakihito Kitajima¹ (¹Department of Applied Biology, Kyoto Institute of Technology、²Graduate School of Life and Environmental Sciences, University of Tsukuba)</p>	<p>2Da-08</p> <p>質量分析計を用いたタンパク質量の検出法</p> <p>Quantitative expression protein analysis by mass-spectrometry</p> <p>○森 仁志、佐藤 良介 (名古屋大学 大学院生命農学研究科)</p>

口頭発表

第2日目 9月8日(日) 9:00~11:12

時間	A会場	B会場	C会場
10:36	<p>2Aa-09 トマト根からのトマチンの分泌と根圏における機能 Tomatine secretion from tomato roots and its function in the rhizosphere ○中安 大¹、大野 滉平¹、青木 裕一²、高瀬 尚文³、矢崎 一史¹、杉山 暁史¹ (京都大学 生存圏研究所、²東北大学 東北メディカル・メガバンク機構、³京都先端科学大学 バイオ環境学部)</p>	<p>2Ba-09 植物内在性遺伝子に対する配列特異的DNAメチル化誘導およびその持続性についての解析 Analysis of induction and maintenance mechanisms of targeted DNA methylation against endogenous genes in plants ○厚見 剛、松尾 幸毅、福澤 徳穂、松村 健 (国立研究開発法人 産業技術総合研究所)</p>	<p>2Ca-09 Context-specific genome-scale metabolic models of <i>Arabidopsis thaliana</i> responses to drought stress ○Ratklaio Siritwach¹, Fumio Matsuda², Kentaro Yano³, Masami Yokota Hirai¹ (¹Metabolic Systems Research team, RIKEN Center for Sustainable Resource Science, ²Department of Bioinformatic Engineering, Graduate School of Information Science and Technology, Osaka University, ³Bioinformatics Laboratory, Department of Life Sciences, School of Agriculture, Meiji University)</p>
10:48	<p>2Aa-10 葉緑体タンパク質CASによる気孔免疫応答の制御 Chloroplast protein CAS mediated stomatal immunity ○水野 公貴¹、上村 優奈¹、木村 成介²、椎名 隆¹ (¹京都府立大学大学院 生命環境科学研究科、²京都産業大学 生命科学部)</p>	<p>2Ba-10 NBRPトマト: 変異体を中心としたリソースの整備・分譲および最新の利用研究成果 NBRP Tomato: Development and distributions of mutant resources and the outcomes ○篠崎 良仁¹、星川 健²、伊藤 直子¹、有泉 亨¹、福田 直也¹、金山 喜則³、久保 康隆⁴、青木 考⁵、矢野 健太郎⁶、江面 浩¹ (¹筑波大学 生命環境系、²国際農林水産業研究センター、³東北大学大学院 農学研究科、⁴岡山大学大学院 環境生命科学研究科、⁵大阪府立大学大学院 生命環境科学研究科、⁶明治大学 農学部)</p>	<p>2Ca-10 Functional analysis of novel parthenocarpy regulator mediating hormone signaling pathway in tomato ○Yu Lu¹, Keichiro Harada¹, Yoshihito Shinozaki^{1,2}, Hiroshi Ezura^{1,2}, Tohru Ariizumi^{1,2} (¹Faculty of Life and Environmental Science, University of Tsukuba, ²Tsukuba Plant Innovation Research Center, University of Tsukuba)</p>
11:00			<p>2Ca-11 Establishment of regeneration protocol for Mongolian subendemic species <i>Oxytropis grubovii</i> Ulzj ○Bolortuya Ulziibat, Munkhtsetseg Tserendagva, Oyunbileg Yungeree (Laboratory of plant biotechnology, Institute of general and experimental biology, MAS, Mongolia)</p>

口頭発表

第2日目 9月8日(日) 13:48~16:36

時間	C会場	D会場
	細胞・組織培養	二次代謝
13:48	<p>2Cp-01 シロイヌナズナ緑色培養細胞における光独立栄養性 Photoautotrophism in cultured green cells of <i>Arabidopsis</i> ○竹中 源、竹田 恵美(大阪府立大学大学院 理学系研究科)</p>	<p>2Dp-01 ムラサキのシコニン・アルカニン類縁体生成に関与する立体特異的なアシル基転移酵素の解析 Stereospecific biosynthesis of shikonin/alkannin derivatives by two BAHD acyltransferases in <i>Lithospermum erythrorhizon</i> ○押切 春佳¹、渡辺 文太²、山本 浩文³、矢崎 一史⁴、高梨 功次郎¹⁵ (¹信州大学大学院 総合理工学研究科、²京都大学 化学研究所、³東洋大学 生命科学部、⁴京都大学 生存圏研究所、⁵信州大学理学部)</p>
14:00	<p>2Cp-02 カーネーションの形質転換効率に影響を及ぼす要因 Factors affecting transformation efficiency in carnation ○間宮 幹士、森 鋭子(キリンホールディングス 株式会社)</p>	<p>2Dp-02 植物培養細胞によるクルクミン類の物質変換 The Biotransformation of Curcuminoids Using Plant Cultured Cells ○川上 倅輝¹、藤高 侑也¹、井上 真奈美¹、柳 正義¹、下田 恵²、濱田 博喜¹(¹岡山理科大学理学部 食品予防医学研究室、²大分大学医学部)</p>
14:12	<p>2Cp-03 ショウガ培養苗の栽培と品質評価 Field-cultivation and quality evaluation of <i>Zingiber officinale</i> plantlets propagated through tissue culture ○吉松 嘉代¹、河野 徳昭¹、乾 貴幸¹、飯田 修¹、北澤 尚¹、瀧野 裕之¹、林 茂樹¹、安食 菜穂子¹、川原 信夫¹、杉村 康司^{1,2}、山國 徹³、大根谷 章浩⁴、吉田 雅昭⁴、野崎 香樹⁵、酒井 悠太⁵、三位 正洋⁶、渡辺 均⁶、高垣 美智子⁶(¹国立研究開発法人 医薬基盤・健康・栄養研究所 薬用植物資源研究センター、²熊本大学大学院 グローバル天然物科学研究センター、³東北大学大学院 薬学研究科、⁴小太郎漢方製薬株式会社、⁵武田薬品工業株式会社 京都薬用植物園、⁶千葉大学 環境健康フィールド科学センター)</p>	<p>2Dp-03 植物培養細胞による配糖化とメチル化 Glycosylation and methylation using the plant cultured cells ○濱田 博喜¹、藤高 侑也¹、上杉 大介¹、井上 真奈美¹、小崎 紳一²、下田 恵³(¹岡山理科大学理学部、²山口大学農学部、³大分大学医学部)</p>
14:24	<p>2Cp-04 北海道における木本植物の組織培養の成り立ちから現在まで From the beginning to the present for trees tissue culture in Hokkaido ○錦織 正智¹、脇田 陽一¹、市川 裕章²、和田 未架²(¹地独)北海道立総合研究機構 森林研究本部 林業試験場、²赤平オーキッド株式会社)</p>	<p>2Dp-04 トロパンアルカロイド生合成を担うIII型ポリケチド合成酵素CHSBの機能解析 A type-III polyketide synthase CHSB is required for synthesis of tropane alkaloids in tomato and <i>Atropa belladonna</i> ○庄司 翼¹、長谷部 文人²、弓場 穂香¹、鮎 信学²(¹奈良先端科学技術大学院大学 バイオサイエンス領域、²静岡県立大学 食品栄養科学部)</p>
	遺伝子組換え植物	
14:36	<p>2Cp-05 ホウレンソウのゲノム編集のための効果的なアグロインフィルトレーション法 Effective agroinfiltration method for genome editing in spinach ○田井 超洋¹、菅野 茂夫^{2,3}、深尾 陽一郎¹(¹立命館大学大学院 生命科学研究所、²立命館大学 R-GIRO、³JST さきがけ)</p>	<p>2Dp-05 ジャガイモのソラニン生合成におけるソラニダン骨格形成機構の解析 Analysis of solanidane skeleton formation mechanism in solanine biosynthesis in potato ○秋山 遼太¹、中安 大¹、李 榮宰¹、加藤 純平¹、梅基 直行²、渡辺 文太³、村中 俊哉⁴、斉藤 和季^{2,5}、杉本 幸裕¹、水谷 正治¹(¹神戸大院・農、²理研・CSRS、³京都大・化研、⁴大阪大院・工、⁵千葉大院・薬)</p>

口頭発表

第2日目 9月8日(日) 13:48~16:36

時間	C会場	D会場
14:48	<p>2Cp-06</p> <p>植物細胞核内でのT-DNAの環状化と一過的発現によるゲノム編集 Formation of circular T-DNA in the plant cell nucleus and genome editing by its transient expression</p> <p>○海老沼 宏安¹、倉沢 日向¹、金井 諒¹、森泉 貴仁¹、濱田 晴康²、三木 隆二²、柳楽 洋三²、岡田 直明² (¹信州大学繊維学部 応用生物科学科、²株式会社カネカ・バイオテクノロジー研究所)</p>	<p>2Dp-06</p> <p>ジャガイモシストセンチュウ孵化促進物質の生合成に関与する酸化酵素の探索 Studies on oxygenases involved in biosynthesis of hatching factor for potato cyst nematodes</p> <p>○清水 宏祐¹、増田 裕貴¹、秋山 遼太¹、坂田 至²、串田 篤彦²、谷野 圭持³、刑部 敬史⁴、刑部 祐里子⁴、杉本 幸裕¹、水谷 正治¹ (¹神戸大学大学院 農学研究科、²農研機構 北海道農業研究センター、³北海道大学大学院 総合化学院、⁴徳島大学 生物資源産業学部)</p>
15:00	<p>2Cp-07</p> <p>植物ミトコンドリアゲノム編集技術の開発: mitoTALENによるシロイヌナズナ<i>ATP6</i>遺伝子の破壊 Development of plant mitochondrial genome editing method: targeted gene disruption of <i>ATP6</i> genes in <i>Arabidopsis thaliana</i> by mitoTALEN</p> <p>○鶴田 遊、菅谷 元、柳瀬 俊吾、亘 悠太、堤 伸浩、有村 慎一 (東京大学大学院 農学生命科学研究科)</p>	<p>2Dp-07</p> <p>セイヨウトウキ由来モノテルペノイド生合成酵素AaTPS2の機能解析 Cloning and functional characterization of a monoterpene synthase AaTPS2 from <i>Angelica archangelica</i></p> <p>○角掛 陽¹、茂木 大介¹、菊池 洋平¹、栗栖 尚嗣¹、廣森 美樹¹、古谷 昌弘²、和氣 駿之¹、中山 亨¹、高橋 征司¹ (¹東北大学大学院 工学研究科、²積水化学・開発推進センター)</p>
15:12	<p>2Cp-08</p> <p>CRISPR/Cas9システムによる<i>RDR6</i>遺伝子ノックアウト <i>Nicotiana benthamiana</i>の作出 CRISPR/Cas9-mediated knockout of the <i>RDR6</i> gene in <i>Nicotiana benthamiana</i></p> <p>○松尾 幸毅、厚見 剛 (国立研究開発法人産業技術総合研究所 生物プロセス研究部門)</p>	<p>2Dp-08</p> <p>セイヨウトウキ由来テルペン合成酵素ファミリーの構造機能相関に関する研究 Structure-function relationships of terpene synthases from <i>Angelica archangelica</i></p> <p>○栗栖 尚嗣¹、角掛 陽¹、茂木 大介¹、菊池 洋平¹、廣森 美樹¹、古谷 昌弘²、和氣 駿之¹、中山 亨¹、高橋 征司¹ (¹東北大学 工学研究科、²積水化学・開発推進セ)</p>
15:24	<p>2Cp-09</p> <p>シロイヌナズナ<i>NPR1</i>遺伝子プロモーターを標的とした人工転写因子について Characterization of artificial transcription factors targeted to the <i>Arabidopsis NPR1</i> gene promoter</p> <p>○千葉 さつき¹、阿部 修人¹、四手 佑花²、木下 正貴¹、小倉 里江子¹、平塚 和之¹ (¹横浜国立大学大学院 環境情報学府、²横浜国立大学 理工学部)</p>	<p>2Dp-09</p> <p>ミヤコグサのウルサン型トリテルペノイド生合成遺伝子の同定 Identification of the gene involved in ursane type triterpenoid biosynthesis in <i>Lotus japonicus</i></p> <p>○鈴木 隼人¹、福島 エリオデット^{1,2}、關 光¹、村中 俊哉¹ (¹阪大院・工・生命先端、²レヒオナル アマゾンカ イキアム大学)</p>
15:36	<p>2Cp-10</p> <p>CRISPR/Cas9およびTarget-AIDを用いたゲノム編集による高糖度トマトの作出 Production of high brix tomato by genome editing using CRISPR/Cas9 and Target-AID technologies</p> <p>○川口 航平¹、星 理絵¹、吉川 郁恵¹、西田 敬二²、松本 省吾¹、太田垣 駿吾¹、白武 勝裕¹ (¹名古屋大学大学院 生命農学研究科、²神戸大学大学院 科学技術イノベーション研究科)</p>	<p>2Dp-10</p> <p>細胞質局在型の新奇ゲラニルニリン酸合成酵素の分子進化 Molecular evolution of a novel geranyl diphosphate synthase from <i>Lithospermum erythrorhizon</i></p> <p>○上岡 颯人¹、佐々木 佳菜子¹、宮脇 達也¹、市野 琢爾¹、巽 奏¹、鈴木 史朗¹、山本 浩文²、櫻井 望³、鈴木 秀幸³、柴田 大輔³、矢崎 一史¹ (¹京都大学 生存圏研究所、²東洋大学 生命科学部、³かずさDNA研究所)</p>

口頭発表

第2日目 9月8日(日) 13:48~16:36

時間	C会場	D会場
15:48	<p>2Cp-11 ステロール7位還元酵素の遺伝子破壊によるビタミンD3高生産トマト毛状根の作出</p> <p>Transgenic tomatoes accumulating vitamin D3 by genome editing of sterol Δ7-reductase</p> <p>○中川 真太郎¹、秋山 遼太¹、刑部 敬史²、刑部 祐里子²、鈴木 宗典³、杉本 幸裕¹、水谷 正治¹ (¹神戸大学大学院 農学研究科、²徳島大学・生物資源産学学部、³神戸天然物化学)</p>	<p>2Dp-11 シロイヌナズナへのリジン脱炭酸酵素遺伝子導入による化学多様性の拡張</p> <p>Expansion of chemical diversity by introducing <i>lysine decarboxylase</i> gene in Arabidopsis</p> <p>○清水 陽平^{1,2}、Amit Rai¹、佐藤 大³、鈴木 秀幸³、齊藤 和希^{1,2}、山崎 真巳¹ (¹千葉大学大学院 医学薬学府、²理化学研究所 環境資源科学研究センター、³かずさDNA研究所)</p>
16:00	<p>2Cp-12 Improvement of carotenoid accumulation in tomato fruits by using Target-AID system inducing nucleotide substitution</p> <p>○Johan Hunziker¹、Keiji Nishida²、Akihiko Kondo²、Sanae Kishimoto³、Tohru Ariizumi⁴、Hiroshi Ezura⁴ (¹Graduate School of Life and Environmental Sciences, University of Tsukuba、²Graduate School of Science, Technology and Innovation, Kobe University、³Institute of Vegetable and Floricultural Science, NARO、⁴Faculty of Life and Environmental Sciences, University of Tsukuba)</p>	<p>2Dp-12 ゲノム編集技術の改良によるダイズイソフラボノイドの代謝改善</p> <p>Metabolic engineering of isoflavonoid biosynthesis by improved genome editing technology in soybean</p> <p>○内田 開¹、澤田 有司¹、佐藤 心郎¹、稲葉 ジュン¹、岡本 真美¹、山田 豊¹、津川 裕司¹、明石 智義²、平井 優美¹ (¹理研CSRS、²日本大・生物資源・応用生物)</p>
16:12	<p>2Cp-13 Green Petal inducible Protein (GPP)による緑色花き作出の分子育種とその機構解明</p> <p>Molecular Breeding to Produce Green Flowers by using Green Petal inducible Protein (GPP) and its Mechanism</p> <p>○上山 恵利奈¹、小田 桃子¹、堀川 あゆ美¹、木村 りな¹、牧野 治子¹、山溝 千尋³、大宮 あけみ²、小嶋 美紀子⁴、竹林 裕美子⁴、榎原 均^{1,4}、白武 勝裕¹ (¹名古屋大学大学院 生命農学研究科、²農研機構野菜花き部門、³国際農林水産業研究センター、⁴理研CSRS)</p>	<p>2Dp-13 ダイズコアコレクション種子のメタボロームゲノムワイド関連解析</p> <p>Metabolome genome wide association study of soybean core collection</p> <p>○澤田 有司、内田 開、稲葉 ジュン、佐藤 心郎、山田 豊、津川 裕司、平井 優美 (理研 環境資源科学研究センター)</p>
16:24		<p>2Dp-14 アスパラガスカルスおよび培養細胞の二次代謝物の評価</p> <p>Metabolome analysis using liquid chromatography-tandem mass spectrometry for specialized metabolites in calluses and a suspension cell line of <i>Asparagus officinalis</i></p> <p>○中林 亮¹、森 哲哉¹、西澤 具子¹、須藤 浩²、浅野 孝³、齊藤 和季^{1,4} (¹理研CSRS、²星薬科大、³岩手医科大薬、⁴千葉大院薬)</p>