

第1日目 9月10日(火)午前(9:30~12:28)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
	二次代謝	遺伝子解析	遺伝子組換え植物	環境応答・環境修復
9:30	1Aa-01 イオンビーム照射カーネーション花色変異株の変異遺伝子の解析 ○宮原 平 ¹ ・山本 悠加 ¹ ・佐々木伸大 ² ・岡村 正愛 ³ ・梅基 直行 ³ ・小関 良宏 ¹ (農工大・工・生命 ² ・岩手生工研セ ³ ・キリン(株)基盤研)	1Ba-01 転写抑制因子に転写活性化ドメインを付加した系統の網羅的作出および解析 ○藤原 すみれ ¹ ・木越 景子 ¹ ・秋田 睦 ¹ ・中井 勇介 ¹ ・鄭 貴美 ¹ ・光田 展隆 ¹ ・高木 優 ^{1,2} (産総研・生物プロセス ² ・埼玉大・環境科学)	1Ca-01 Regeneration and <i>Agrobacterium tumefaciens</i> -mediated Genetic Transformation of <i>Acacia crassicarpa</i> A. Cunn. ex Benth. ○Md. Mahabubur Rahman ¹ ・Shiro Suzuki ¹ ・Takefumi Hattori ² ・Masahiro Mii ³ ・Toshiaki Umezawa ¹ (RISH・Kyoto Univ. ¹ ・ ² SAS・Univ. Tokushima ³ ・G. Sch. Horticult. Chiba Univ.)	1Da-01 環境ストレス下における翻訳制御機構の解明 ○上田 清貴 ¹ ・山崎 将太郎 ¹ ・米田 新 ¹ ・出村 拓 ¹ ・加藤 晃 ¹ (奈良先端大・バイオ)
9:42	1Aa-02 マメ科ネムノキ亜科 <i>Acacia</i> 属の5-デオキシフラボノイド合成機構： <i>A. mangium</i> のF3H以降の酵素のcDNAクローニングと機能解析 ○小松 克彰 ¹ ・水野 修平 ¹ ・綾部 真一 ¹ ・内山 寛 ¹ (日大・生物資源・応生)	1Ba-02 改良酵母ワン・ツーハイブリッド法による転写因子スクリーニング技術の開発 ○光田 展隆 ¹ ・戸部 文絵 ¹ ・石塚 徹 ¹ ・高木 優 ^{1,2} (産総研・生物プロセス ² ・埼玉大学・環境科学)	1Ca-02 緑葉における耐虫性遺伝子の迅速な評価法の開発 村田 未果 ² ・河津 圭 ^{2,3} ・和佐野直也 ² ・今野 浩太郎 ¹ ・大橋 祐子 ¹ ・望月 淳 ² ・光原 一朗 ¹ (独)生物研 ² ・(独)農環研 ³ ・協友アグリ(株))	1Da-02 植物体の成長/発達に伴う翻訳レベルでの遺伝子発現変化 ○山崎 将太郎 ¹ ・上田 清貴 ¹ ・米田 新 ¹ ・出村 拓 ¹ ・加藤 晃 ¹ (奈良先端大・バイオ)
9:54	1Aa-03 キンギョソウのフラボノイド合成における酵素間相互作用解析 ○藤野 尚人 ¹ ・杉山 圭吾 ¹ ・名川 賢治 ¹ ・山崎 達也 ¹ ・吉田 佐央理 ¹ ・本橋 令子 ² ・田中 良和 ³ ・鈴木 秀幸 ⁴ ・高橋 征司 ¹ ・中山 亨 ¹ (東北大院・工・バイオ工学 ² ・静大院・農・共生バイオ ³ ・サントリー ⁴ ・かずさDNA研)	1Ba-03 シロイヌナズナプロトプラストを用いた一次細胞壁制御機構の解析 ○米田 新 ¹ ・出村 拓 ¹ (奈良先端大・バイオ)	1Ca-03 バイオ燃料植物ヤトロファ (<i>Jatropha curcas</i> L.) の形質転換法の改良 ○七里 吉彦 ¹ ・木戸 真史 ¹ ・明石 欣也 ¹ (鳥取大・農)	1Da-03 小胞体ストレスセンサー IRE1 に依存的な mRNA 分解の解析 ○三柴 啓一郎 ¹ ・長島 幸広 ¹ ・鈴木 英司 ¹ ・林 のりこ ¹ ・尾形 善之 ¹ ・嶋田 幸久 ² ・小泉 望 ¹ (大阪府大院・生命環境 ² ・横浜市大・木原生物研)
10:06	1Aa-04 アシタバ脱分化培養細胞におけるフェニルプロパノイド代謝調節 ○中村 陽 ¹ ・橋爪 早季 ³ ・秋田 悟史 ² ・鈴木 達也 ² ・山本 浩文 ² (東洋大学・院・生命科学 ² ・東洋大学・生命科学・応用生物学 ³ ・東洋大学・生命科学・生命科学)	1Ba-04 orf79 をミトコンドリアに持つ細胞質雄性不稔イネの比較解析 ○風間 智彦 ¹ ・藤井 慎也 ¹ ・鳥山 欽哉 ¹ (東北大・院・農)	1Ca-04 ブラジル大豆品種を用いた形質転換系の確立 ○金森 紀仁 ^{1,2} ・Cesar Silveira ³ ・中島 一雄 ^{1,2} ・篠崎和子 ^{2,4} ・Alexandre Nepomuceno ³ (国際農林水産業研究センター ² ・JST/JICA, SATREPS ³ ・Embrapa 大豆研 ⁴ ・東京大学・農)	1Da-04 ソナレシバの GRP 遺伝子を導入したシロイヌナズナの耐塩性 ○多田 雄一 ¹ ・小松原 史帆 ² ・遠藤 優美 ¹ ・来須 孝光 ¹ (東京工科大・応用生物 ² ・東京工科大・院・バイオ情報メディア)
10:18	1Aa-05 <i>Anthriscus sylvestris</i> のリグナン OMT の機能解析 Safendrri Komara Ragamustari ^{1,2} ・服部 武文 ^{1,3} ・小笠 栄一郎 ⁴ ・鈴木 史朗 ¹ ・山村 正臣 ¹ ・梅澤 俊明 ^{1,2} (京都大学・生存研 ² ・京都大学・生存基盤 ³ ・徳島大学・大学院 SAS ⁴ ・サントリーグローバルイノベーションセンター(株))	1Ba-05 細胞質雄性不稔性イネ RT102 系統に存在するミトコンドリア原因遺伝子の探索 ○岡崎 真之 ¹ ・風間 智彦 ¹ ・本村 恵二 ² ・鳥山 欽哉 ¹ (東北大院・農 ² ・琉球大・農)	1Ca-05 植物モノ作りのための翻訳エンハンサーのカタログ化 ○松井 健史 ^{1,2} ・澤田 和敏 ¹ ・瀧田 英司 ¹ ・加藤 晃 ² (出光興産・先進技術研 ² ・奈良先端大・バイオ)	1Da-05 耐塩性シロイヌナズナが有する塩馴化能の Genome-Wide Association Study ○有賀 裕剛 ¹ ・香取 拓 ¹ ・Leon Kochian ² ・Owen Hoekenga ² ・Michael A. Gore ² ・小林 佑理子 ³ ・井内 聖 ⁴ ・小林 正智 ⁴ ・坂田 洋一 ¹ ・林 隆久 ¹ ・太治 輝昭 ¹ (東京農大・バイオ ² ・USDA-ARS ³ ・岐阜大・応生 ⁴ ・理研・BRC)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
10:35	<p>1Aa-06 リンドウ花卉で発現する Single-repeat MYB 転写因子遺 伝子の機能解析 中塚 貴司¹・山田 恵理²・齋藤 美沙²・藤田 晃平²・佐々木 伸 大²・西原 昌宏² (1静岡大院・ 農・共生バイオ²・岩手生工研 七)</p>	<p>1Ba-06 RT98型細胞質雄性不稔性原因 遺伝子候補 orf113の同定とリ コンビナントタンパク質の毒 性調査 ○五十嵐 圭介¹・風間 智彦¹・本 村 恵二²・鳥山 欽哉¹ (1東北大 院・農²・琉球大・農)</p>	<p>1Ca-06 組換えの鋳型をゲノムから切 り出す標的組換えシステム ○遠藤 真咲¹・三上 雅史²・土岐 精一^{1,2} (1生物研・先端ゲノム² 横浜市立大・木原生研)</p>	<p>1Da-06 <i>Arabidopsis thaliana</i> Zu-0 の イオンビーム照射種子を用い た塩馴化能欠損株の探索 ○笹生 保孝¹・有賀 裕剛¹・吉原 亮平³・野澤 樹³・長谷 純宏³・鳴 海 一成³・井内 聖²・小林 正智²・ 坂田 洋一¹・林 隆久¹・太治 輝 昭¹ (1東京農大・バイオ²・理 研・BRC³・原子力機構・量子 ビーム)</p>
10:47	<p>1Aa-07 グルコシノレート生合成を制御 する MYB 転写因子の機能解析 ○平井 優美^{1,2,3}・李 一蒙^{1,4}・荒木 良一¹・澤田 有司^{1,2}・西澤 治⁵・斉 藤 和季^{1,2,6}・小川 俊也⁵ (1理研 PSC²・理研 CSRS³・JST・CREST⁴・東北林 業大学⁵・キリン株式会社⁶・千 葉大院・薬)</p>	<p>1Ba-07 稔性回復因子 RF2 と相互作用 を示すミトコンドリア局在因 子の解析 ○藤井 慎也¹・風間 智彦¹・伊藤 幸博¹・小島 創一¹・鳥山 欽哉¹ (1東北大院・農)</p>	<p>1Ca-07 糖誘導性プロモーターを用い た <i>Nicotiana plumbaginifolia</i> に おける GUS の高発現 ○本間 洋平¹・山川 隆¹ (1東京 大学・農・農学国際)</p>	<p>1Da-07 シロイヌナズナ内生ペプチド エリシターの塩ストレスへの 関与 ○道満 剛平¹・藤野 介延²・山口 夕³ (1北大院・農・作物生理²・北 大院・農学研究院³・大阪府大・ 生命環境科学)</p>
10:59	<p>1Aa-08 ハナビシソウ <i>bHLH1</i> の発現抑 制形質転換体における生合成 酵素遺伝子の発現およびアル カロイドの解析 ○本村 幸也¹・山田 泰之¹・島田 友恵¹・佐藤 文彦¹ (1京大院 生命科学)</p>	<p>1Ba-08 リンドウ越冬組織の環境スト レス耐性に関わる <i>DHN</i> 遺伝子 の機能解析 ○今村 智弘¹・樋口 敦美¹・高橋 秀行¹ (1公財・岩手生工研)</p>	<p>1Ca-08 <i>piggyBac</i> トランスポゾンを用 いた足跡を残さない選抜マー カー遺伝子除去系の開発 ○横井 彩子¹・土岐 精一^{1,2} (1生 物研・先端ゲノム²・横浜市大・ 木原生研)</p>	<p>1Da-08 高温耐性に関与するアッケシ ソウリボソームタンパク質 S27 二瓶 有希子¹・且原 真木²・柴坂 三根夫²・篠野 静香²・小栗 秀¹・ ○坂本 光¹ (1東農大・生物産 業・生物生産²・岡山大・植物研)</p>
11:11	<p>1Aa-09 イソキノリンアルカロイド生 合成系を制御する転写因子 CjWRKY1 の機能解析 ○山田 泰之¹・本村 幸也¹・島田 友恵¹・小倉 康平¹・吉本 忠司¹・ 加藤 伸彦¹・小山 知嗣²・佐藤 文彦¹ (1京大院・生命科学²・サ ントリー生科財団・生有研)</p>	<p>1Ba-09 キクの各発育相における <i>CmFT</i> と <i>CmTFL1</i> の発現解析 ○浅尾 浩史¹・辻 寛之²・島本 功² (1奈良農総セ²・奈良先端 大・バイオ)</p>	<p>1Ca-09 ラン藻由来遺伝子の導入によ る光合成能の向上を目指した イネ系統の作出 ○小松 晃¹・田茂井 政宏²・大武 美樹¹・大島 久美²・大島 正弘¹・ 重岡 成² (1農研機構・作物研究 所²・近畿大・農・バイオ)</p>	<p>1Da-09 塩生植物 <i>Thellungiella</i> 由来の 完全長 cDNA ライブラリーを 用いた耐塩性付与遺伝子の FOX hunting ○福内 琢也¹・関 原明²・篠崎 一雄²・林 隆久¹・坂田 洋一¹・太 治 輝昭¹ (1東京農大・バイオ² 理研・PSC)</p>
11:23	<p>1Aa-10 ハナビシソウゲノムデータ ベースを用いた未同定イソキ ノリンアルカロイド生合成酵 素遺伝子の単離 ○堀 健太郎¹・佐藤 文彦¹ (1京 都大学大学院・生命)</p>	<p>1Ba-10 異なる分離集団を用いたイチ ゴ萎黄病抵抗性連鎖マーカー の相互評価 ○橋爪 不二夫¹・松島 雄大^{2,4}・ 藤田 絢香¹・飯村 一成^{2,5}・田崎 公久²・橋本 和紀³・浜中 悠³・中 澤 佳子²・山本 有子^{1,6}・辻 朋 子¹・小堀 純奈¹・掛田 克行³・生 井 潔²・森 利樹¹ (1三重農研・ 2栃木農試³・三重大学⁴・現栃木 県下都賀農振⁵・現栃木県農大⁶ 三重県農水部)</p>	<p>1Ca-10 遺伝子発現解析におけるイン トロン挿入型発光レポーター 遺伝子の応用 ○小倉 里江子¹・小谷 知代¹・北 野 涼一¹・平塚 和之¹ (1横浜国 大院・環境情報)</p>	<p>1Da-10 塩生植物 <i>Thellungiella</i> cDNA を用いた FOX hunting より得 られた耐塩性付与遺伝子の解 析 ○長島 由布子¹・関 原明²・篠崎 一雄²・林 隆久¹・坂田 洋一¹・太 治 輝昭¹ (1東京農大・バイオ² 理研・PSC)</p>

第1日目 9月10日(火)午前 (9:30~12:28)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
11:40	<p>1Aa-11 複数の外来遺伝子の同時発現による植物の代謝工学 ○戸松 創¹・斉藤 和季^{1,2}・山崎 真巳¹ (1千葉大学大学院・薬・²理研 CSRS)</p>	<p>1Ba-11 ソルガム紫斑点病の病斑色を決定する遺伝子の解析 ○川東 広幸¹・春日 重光²・澤田 有司³・安藤 露¹・米丸 淳一¹ (1生物研・²信州大学・農・³理化学研)</p>	<p>1Ca-11 遺伝子キャリアペプチドを用いた遺伝子導入法の開発 ○沼田 圭司¹・吉積 毅²・児玉 豊³ (1理研・酵素・²慶應大学・³宇都宮大学)</p>	<p>1Da-11 ダイズの塩ストレス応答機構に関わる核-細胞質間輸送因子 Importin α の探索 ○川崎 裕史¹・佐川 智美¹・木村 愛¹・高原 英成¹・小島 俊雄¹ (1茨城大学・農・生物化学)</p>
11:52	<p>1Aa-12 タバコ培養細胞 BY-2 を用いたベタレイン色素合成系の確立 中塚 貴司¹・○佐々木 伸大²・山田 恵理²・藤田 晃平²・高橋 秀行²・今村 智弘²・鈴木 万里子³・小関 良宏³・辻村 郁子²・齋藤 美沙²・坂本 裕一²・西原 昌宏² (1静岡大院・農・共生バイオ・²岩手生工研セ・³農工大・工・生命)</p>	<p>1Ba-12 トマト ADP-glucose pyrophosphorylase AgpS1 遺伝子の発現様式の解明 ○後藤 幸久¹・野中 聡子¹・尹 永根^{1,2}・江面 浩¹・松倉 千昭¹ (1筑波大・院・生命環境科学・²原子力機構量子ビーム)</p>	<p>1Ca-12 経口ワクチン用キャリアーを目標としたイネ種子 PB-1 の特定部位への外来タンパク質局在化と消化酵素耐性に関する研究 ○佐生 愛¹・重光 隆成¹・齊藤 雄飛¹・田中 愛実¹・森田 重人^{1,2}・佐藤 茂^{1,2}・増村 威宏^{1,2} (1京都府大院・生命環境・²京都農技セ・生資セ)</p>	<p>1Da-12 植物の天然変性蛋白質デヒドロリンの活性酸素発生抑制活性を規定する配列特性 ○原 正和¹・加藤 雄成² (1静岡大・グリーン科技研・²静岡大・院・農学研究科)</p>
12:04	<p>1Aa-13 フラボノイド合成系 P450 の大腸菌発現系の構築とそれらを用いた物質生産 ○内田 開¹・明田川 真央¹・青木 俊夫¹・明石 智義¹ (1日本大・生物資源・応用生物)</p>	<p>1Ba-13 トマト ADP-glucose pyrophosphorylase AgpS1 遺伝子 RNAi 形質転換体の特性解析 ○佐藤 未来¹・尹 永根³・C. Rothan⁴・Y. Gibon⁴・江面 浩²・松倉 千昭² (1筑波大・院・生命環境・²筑波大・遺伝子実験センター・³原子力機構量子ビーム・⁴フランス国立農学研究所 (INRA) ボルドー研究所)</p>	<p>1Ca-13 抗菌タンパク質を発現するイネに関する研究 ○菊田 桃香¹・佐生 愛¹・重光 隆成¹・森田 重人^{1,2}・佐藤 茂^{1,2}・増村 威宏^{1,2} (1京都府立大学・院・生命環境・²京都府立大学・生命環境学部・京都農技セ・生資セ)</p>	<p>1Da-13 孔辺細胞局在型陰イオンチャネル SLAC1 の CO₂ による活性化制御 ○山本 禎子¹・衿冨 淳太郎¹・磯貝 泰弘²・射場 厚¹ (1九州大・院・理・生物・²富山県立大・工・生物工)</p>
12:16	<p>1Aa-14 植物培養細胞によるレスベラトロールおよびその誘導体の配糖体合成 ○濱田 博喜¹・竹本 麻衣¹・下田 恵²・佐藤 大介²・小崎 紳一³ (1岡山理大・理・²大分大・医・³山口大・農)</p>	<p>1Ba-14 Studies on Physiological Function of Phosphoenolpyruvate Carboxykinase (PEPCK) in Tomato Plant ○黄 永興¹・Yonggen Yin²・福田 直也²・江面 浩²・松倉 千昭² (1筑波大・院・生命環境・²筑波大・遺伝子実験センター)</p>	<p>1Ca-14 Barnase-barstar システムを用いた遺伝子組換え雄性不稔スギの作出と形質評価 ○小長谷 賢一¹・栗田 学^{1,2}・坪村 美代子²・平尾 知士^{1,2}・渡辺 敦史³・石井 克明¹・谷口 亨^{1,2} (1森林総研・森林バイオ・²森林総研・林木育種センター・³九大・院・農)</p>	<p>1Da-14 避陰反応において細胞伸長を促進する新奇 bHLH 因子の解析 ○池田 美穂^{1,2}・光田 展隆¹・高木 優^{1,3} (1産総研・生物プロセス・²日本学術振興会・RPD・³埼玉大・環境科学)</p>

第1日目 9月10日(火)午後(13:30~16:28)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
	二次代謝	遺伝子解析	遺伝子組換え植物	環境応答・環境修復
13:30	1Ap-01 グリコアルカロイド生合成遺伝子群の同定について ○梅基 直行 ¹ ・佐々木 勝徳 ¹ ・大山 清 ^{2,3} ・山下 まり ⁴ ・水谷 正治 ⁵ ・関 光 ⁶ ・齊藤 和季 ^{2,7} ・村中 俊哉 ⁶ (¹ 麒麟(株)・基盤研・ ² 理研 CSRS・ ³ 東工大院・理工・ ⁴ 東北大院・農・ ⁵ 神戸大院・農・ ⁶ 阪大院・工・ ⁷ 千葉大院・薬)	1Bp-01 イネのサイトカニン情報伝達系レスポンスレギュレーターに直接発現誘導される転写制御因子遺伝子の探索 ○高橋 ほなみ ¹ ・高杉 知彰 ¹ ・藤田 雅丈 ² ・倉田 のり ^{2,3} ・伊藤 幸博 ¹ (¹ 東北大農・ ² 遺伝研・ ³ 総研大)	1Cp-01 アルツハイマー病エピトープ融合タンパク質のダイズへの高蓄積化と予防効果 ○寺川 輝彦 ¹ ・長谷川 久和 ¹ ・瓦林 毅 ² ・島田 康 ¹ ・丸山 伸之 ³ ・石本 政男 ⁴ ・東海林 幹夫 ² (¹ 北興化学・開発研・ ² 弘前大院・医・ ³ 京大院・農・ ⁴ 生物研)	1Dp-01 大気中二酸化窒素の植物成長調整作用に関する遺伝子群 ○高橋 美佐 ¹ ・坂本 敦 ¹ ・塚谷 裕一 ² ・森川 弘道 ¹ (¹ 広島大学・院理・ ² 東京大学・院理)
13:42	1Ap-02 ステロイドアルカロイド生合成の改変による有用サポニンの蓄積 ○大山 清 ^{1,2} ・齊藤 和季 ^{2,3} ・村中 俊哉 ^{2,4} ・梅基 直行 ⁵ (¹ 東工大院・理工・ ² 理研 CSRS・ ³ 千葉大院・薬・ ⁴ 阪大院・工・ ⁵ 麒麟(株)・基盤研)	1Bp-02 シロイヌナズナ CGS1 mRNA の翻訳制御におけるリボソームの停滞と新生ペプチドの収縮 ○山下 由衣 ¹ ・尾之内 均 ² ・内藤 哲 ^{1,2} (¹ 北大・院生命・ ² 北大・院農)	1Cp-02 廃用性筋萎縮の予防と治療を目的とした健康機能性米の開発 ○赤間 一仁 ¹ ・後藤 春樹 ² ・越智 ありさ ² ・二川 健 ² (¹ 島根大・生資・ ² 徳島大・生体栄養)	1Dp-02 イネ野生種のカドミウム吸収特性の解析 熊谷 さおり ¹ ・堀川 悠佑 ² ・宮川 典子 ² ・佐藤 奈美子 ² ・櫻井 健二 ² ・高橋 秀和 ² ・渡辺 明夫 ² ・○赤木 宏守 ² (¹ 秋田県立大院・生物資源・ ² 秋田県立大・生物資源)
13:54	1Ap-03 ナス科植物の有毒グリコアルカロイド生合成に関わるコレステロール生成酵素遺伝子の同定 ○澤井 学 ¹ ・大山 清 ^{1,2} ・青木 俊夫 ³ ・村中 俊哉 ^{1,4} ・齊藤 和季 ^{1,5} ・梅基 直行 ⁶ (¹ 理研 CSRS・ ² 東工大院・理工・ ³ 日本大・生物資源・ ⁴ 阪大院・工・ ⁵ 千葉大院・薬・ ⁶ 麒麟(株)・基盤研)	1Bp-03 シロイヌナズナの microRNA 生成因子 DCL1 と SE の生化学的解析 ○岩田 雄二 ^{1,2,3} ・Nina V. Fedoroff ^{2,3} ・Samir M. Hamdan ² (¹ 大阪府大院・生命環境・ ² King Abdullah Univ. Sci. Tech. (KAUST))・ ³ Pennsylvania State University)	1Cp-03 遺伝子組換えアスタキサンチン高産生レタスの代謝プロファイリング ○佐々木 貴子 ¹ ・小川 拓水 ¹ ・岡澤 敦司 ¹ ・三沢 典彦 ² ・太田 大策 ¹ (¹ 大阪府立大学・生環・細胞代謝機能学・ ² 石川県立大学・生物資源工学研究所)	1Dp-03 ABCトランスポーター (OsABCC3) 導入によるカドミウム耐性の向上 細川 渉 ¹ ・○吉田 薫 ¹ (¹ 東京大学・農学生命科学)
14:06	1Ap-04 植物テルペノイド代謝工学への人工ヌクレアーゼ TALEN の利用 ○安本 周平 ¹ ・関 光 ¹ ・福島 エリオデット ¹ ・佐久間 哲史 ² ・山本 卓 ² ・村中 俊哉 ¹ (¹ 阪大院・工・生命先端・ ² 広大院・理)	1Bp-04 イネ Exome 解析による LETmax での重イオンビーム突然変異の特徴 ○森田 竜平 ¹ ・竹久 紀奈子 ² ・石井 公太郎 ¹ ・林 依子 ¹ ・小暮 祥子 ¹ ・一瀬 勝紀 ¹ ・東海林 英夫 ¹ ・佐藤 雅志 ^{3,4} ・齊藤 大樹 ⁵ ・奥本 裕 ⁵ ・阿部 知子 ^{1,3} (¹ 理研・仁科センター・ ² 生物研・ ³ 理研・イノベーションセンター・ ⁴ 東北大学・院生命科学・ ⁵ 京都大学・院農学)	1Cp-04 殺虫性タンパク質 cry43Aa1 を蓄積する葉緑体形質転換タバコの作出 奥崎 文子 ¹ ・○廣瀬 文昭 ¹ ・津田 麻衣 ¹ ・深見 正信 ² ・木田 翔子 ¹ ・阿部 清美 ¹ ・大嶋 雅夫 ¹ ・小原 麻里 ² ・田部井 豊 ¹ (¹ 農業生物資源研究所・ ² 千葉県農林総合研究センター)	1Dp-04 ユビキチンリガーゼ ATL31 による 14-3-3 タンパク質の分解制御機構 ○安田 盛貴 ¹ ・前川 修吾 ¹ ・佐藤 長緒 ¹ ・山口 淳二 ¹ (¹ 北大院・生命)
14:18	1Ap-05 ヤマノイモ属トゲドコロ由来のフロスタノール配糖体を加水分解する beta-グルコシダーゼの同定 中安 大 ¹ ・川崎 崇 ¹ ・山村 理恵 ¹ ・Lee Hyoung Jae ¹ ・遠城 道雄 ² ・杉本 幸裕 ¹ ・○水谷 正治 ¹ (¹ 神戸大院・農・生命機能科学・ ² 鹿児島大・農)	1Bp-05 RNA-Seq Analysis on <i>Sophora flavescens</i> Aiton ○韓 榮春 ¹ ・高橋 弘喜 ² ・中村 道美 ¹ ・吉本 尚子 ¹ ・鈴木 秀幸 ³ ・柴田 大輔 ³ ・山崎 真巳 ¹ ・齊藤 和季 ^{1,4} (¹ 千葉大院・薬・ ² 千葉大真菌セ・ ³ かずさ DNA 研・ ⁴ 理研・CSRS)	1Cp-05 rgs-CaM による S-PTGS の抑制 ○三上 達也 ¹ ・申 美來 ² ・児玉 浩明 ² (¹ 千葉大学・園芸・応用生命化学・生物化学・ ² 千葉大学・融合化学・生物化学)	1Dp-05 新規ユビキチンリガーゼ ATL8 による植物の糖飢餓ストレス適応機構の解析 ○青山 翔紀 ¹ ・安田 盛貴 ¹ ・佐藤 長緒 ¹ ・山口 淳二 ¹ (¹ 北大院・生命)

第1日目 9月10日(火)午後 (13:30 ~ 16:28)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
14:35	<p>1Ap-06 ヤマノイモ属トゲドコロにおけるステロイドサポニン生合成P450遺伝子の探索 ○山村 理恵¹・川崎 崇²・Hyoung-Jae Lee¹・中安 大¹・岡田 実佳¹・遠城 道雄³・杉本 幸裕¹・水谷 正治¹ (¹神戸大院・農²立命館大・薬³鹿児島大・農)</p>	<p>1Bp-06 イネ転写因子cDNA過剰発現およびキメラリプレッサー発現イネ系統の網羅的作出と評価 ○阿部 清美¹・四方 雅仁¹・樋田 (間山) 智子¹・石塚 徹²・瀧口 裕子²・飯田 (岡田) 恵子¹・堀川 明彦¹・宮尾 安藝雄¹・佐藤 和人³・成田 聡子³・松井 恭子^{2,3}・永田 俊文¹・保坂 アエニ¹・宋 (清宮) 健瑜¹・菊池 尚志¹・長村 吉晃¹・安本 徹³・光田 展隆²・高木 優^{2,4}・市川 裕章¹ (¹農業生物資源研究所・²産総研生物プロセス³グリーンソニア⁴埼玉大学)</p>	<p>1Cp-06 アグロバクテリウムを介したゼニコケ形質転換法の簡便化 ○坪山 祥子^{1,2}・児玉 豊² (¹宇都宮大院・農²宇都宮大・バイオセンター)</p>	<p>1Dp-06 Defense related-WRKY33 transcription factor is involved in C/N stress response ○HUARANCCA REYES Thais¹・前川 修吾¹・佐藤 長緒¹・山口 淳二¹ (¹北海道大学・生命科学)</p>
		オミクス解析		植物-微生物相互作用
14:47	<p>1Ap-07 ヤマノイモ属トゲドコロ由来NADPH-P450還元酵素遺伝子の単離同定 ○岡田 実佳¹・中安 大¹・遠城 道雄²・杉本 幸裕¹・水谷 正治¹ (¹神戸大院・農・生命機能科学²鹿児島大・農)</p>	<p>1Bp-07 マススペクトル解析ツール ShiftedlonsFinder を用いた安定同位体で標識したタルウマゴヤシのメタボローム解析 ○解良 康太¹・尾形 善之²・永島 良樹¹・荒 武¹・櫻井 望¹・柴田 大輔¹・鈴木 秀幸¹ (¹かずさDNA研究所・産業応用技術研²大阪府立大学・生命環境)</p>	<p>1Cp-07 老化誘導プロモーターとセルラーゼを用いた高糖化性イネの開発 古川 佳世子¹・濁川 睦¹・園木 和典²・○伊藤 幸博¹ (¹東北大・農²弘前大・農学生命)</p>	<p>1Dp-07 アゼライン酸処理をしたシラカンバ幼植物体No.8に生成する特異的タンパク質の網羅的解析 ○市川 拓朗¹・高島 有也²・石栗 太²・飯塚 和也²・吉澤 信夫²・横田 信三² (¹宇大院・農²宇大・農)</p>
14:59	<p>1Ap-08 薬用植物カンゾウのグリチルリチン生合成に関わる糖転移酵素遺伝子の単離と機能解析 ○關 光^{1,2}・大山 清^{2,3}・水谷 正治⁴・須藤 浩⁵・斉藤 和季^{2,6}・村中 俊哉^{1,2} (¹阪大院・工・生命先端²理研 CSRS³東工大院・理工⁴神戸大院・農⁵星薬科大⁶千葉大院・薬)</p>	<p>1Bp-08 ネットワーク解析機能を備えたMS/MSデータ解析ツール (MSMS_search) の開発 ○鈴木 秀幸¹・永島 良樹¹・玉山 方子²・解良 康太¹・秋元 奈弓¹・荒 武¹・櫻井 望¹・柴田 大輔¹・千葉 洋²・尾形 善之³ (¹かずさDNA研究所・産業応用技術研²東北化学薬品・生命システム情報研³大阪府立大学・生命環境)</p>	<p>1Cp-08 UDP-グルクロン酸脱炭酸酵素遺伝子の抑制による細胞壁成分の変化 加藤 あすか¹・本田 与一¹・○坂本 正弘¹ (¹京都大学・院農・地域環境科学)</p>	<p>1Dp-08 ダイズ内生ペプチドエリシター GmPep914 の機能解析 ○山口 夕¹・今村 麻紀²・藤野 介延³ (¹大阪府大・環境生命²北海道大学大学院農学院³北海道大学大学院農学研究院)</p>
			細胞・組織培養	
15:11	<p>1Ap-09 グレープフルーツの芳香族基質O-プレニル基転移酵素のクローニングと機能解析 ○棟方 涼介¹・Alexandre Olry²・水谷 正治³・Célia Krieger²・Fazeelat Karamat²・Alain Hehn²・杉山 暁史¹・矢崎 一史¹・Frédéric Bourgaud² (¹京都大学・生存圏研究所²Nancy University³神戸大学大学院・農学研究科)</p>	<p>1Bp-09 LC-Orbitrap-MS を用いたヒメツリガネゴケのメタボローム解析 ○永島 良樹¹・解良 康太¹・荒 武¹・櫻井 望¹・柴田 大輔¹・尾形 善之²・鈴木 秀幸¹ (¹かずさDNA研究所・産業応用技術研²大阪府立大学・生命環境)</p>	<p>1Cp-09 形質転換効率向上を目指したアグロバクテリウム菌株の改良 ○野中 聡子¹・染谷 龍彦^{1,2}・中村 幸治¹・三位 正洋³・江面 浩¹ (¹筑波大・生命環境²理化学研究所・ライフサイエンス³千葉大・環境健康フィールド科学センター)</p>	<p>1Dp-09 低温馴化により誘導される植物ディフェンシンTAD1はコムギの雪腐病抵抗性に関与する 梅木 菜月^{1,2}・○小野 瑞穂^{1,2}・藤岡 真理¹・植原 愛¹・宇梶 慎子¹・安倍 史高³・佐々木 健太郎²・佐分利 亘²・松井 博和²・今井 亮三^{1,2} (¹農研機構・北農研²北大・農³農研機構・作物研)</p>

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
15:23	1Ap-10 マメ科植物におけるフラボノイドC配糖化酵素の探索と解析 ○伊藤 崇充 ¹ ・山本 菜摘 ¹ ・藤本 俊介 ¹ ・田口 悟朗 ¹ (信州大・繊維・応生)	1Bp-10 Near isogenic lineを用いた深水処理時のイネ中心代謝物と植物ホルモン変化の包括的解析 ○草野 都 ¹ ・福島 敦史 ¹ ・服部 洋子 ² ・永井 啓祐 ² ・黒羽 剛 ² ・及川 彰 ¹ ・小林 誠 ¹ ・西澤 具子 ¹ ・林 尚美 ¹ ・内海 好規 ¹ ・関 原明 ¹ ・小嶋 美紀子 ¹ ・榊原 均 ¹ ・芦刈 基行 ² ・斉藤 和季 ^{1,3} (理化学研究所・CSRS ² 名古屋大学・生物機能開発利用研究センター ³ 千葉大学・大学院薬学研究院)	1Cp-10 メダケ (<i>Pleioblastus simonii</i>) 細胞培養系の増殖・分化特性 ○荻田 信二郎 ¹ ・野村 泰治 ¹ ・加藤 康夫 ¹ (富山県立大学・生工研セ)	1Dp-10 シロイヌナズナC/N制御因子ATL31はうどんこ病菌侵入抵抗性に機能する ○前川 修吾 ¹ ・HUARANCCA REYES Thais ¹ ・安田 盛貴 ¹ ・稲田 のりこ ² ・佐藤 長緒 ¹ ・山口 淳二 ¹ (北大院・生命 ² 奈良先端大・バイオ・植物グローバル)
15:40	1Ap-11 花粉特異的なシロイヌナズナ・フラボノール高次配糖化酵素の機能同定 ○榊原 圭子 ¹ ・菅原 聡子 ¹ ・中林 亮 ¹ ・小柳 美寿々 ² ・峠 隆之 ¹ ・鈴木 実 ¹ ・伊藤 卓也 ³ ・北島 満里子 ² ・高山 廣光 ² ・斉藤 和季 ^{1,2} (理研 CSRS ² 千葉大院・薬 ³ 理研 抗生物質)	1Bp-11 シロイヌナズナの遺伝子機能注釈を促進する機能ゲノミクスデータベースMeKOの開発 ○福島 敦史 ¹ ・草野 都 ^{1,2} ・岩佐 万実 ^{1,3} ・小林 誠 ¹ ・林 尚美 ¹ ・高橋 晶子 ¹ ・成澤 知子 ¹ ・峠 隆之 ^{1,4} ・斉藤 和季 ^{1,5} (理研・CSRS ² 横浜市大・木原生研 ³ 日産化学工業(株) ⁴ マックスプランク研究所 ⁵ 千葉大院・薬)	1Cp-11 緩速予備凍結法によるスキの不定胚形成細胞の超低温保存 ○谷口 亨 ^{1,2} ・小長谷 賢一 ¹ ・栗田 学 ^{1,2} (森林総研・森林バイオ ² 森林総研・林木育種センター)	1Dp-11 高等植物・エンドファイト共培養液中の生理活性因子に関する研究 ○西垣 舞穂 ¹ ・小川 拓水 ¹ ・岡澤 敦司 ¹ ・太田 大策 ¹ (大阪府立大院・生命環境科学)
15:52	1Ap-12 トマト果実の成熟に依存する配糖化酵素の機能解析 ○飯島 陽子 ^{1,2} ・鈴木 秀幸 ² ・柴田 大輔 ² ・青木 考 ^{2,3} (神奈川工科大・応用バイオ ² かずさDNA研・産業基盤 ³ 大阪府立大・生命環境研)	1Bp-12 薬用植物総合情報データベースの構築 ―薬用植物のEST情報の整備― ○河野 徳昭 ¹ ・吉松 嘉代 ¹ ・鈴木 秀幸 ² ・斉藤 和季 ^{3,4} ・川原 信夫 ¹ (基盤研・薬植セ・筑波 ² かずさDNA研 ³ 理研CSRS ⁴ 千葉大院・薬)	1Cp-12 植物培養細胞の乾燥による常温ガラス化と長期保存 ○菅原 康剛 ¹ ・畑中 理恵 ² ・國武 久登 ³ (埼玉大・理・生体制御 ² 農業生物資源研 ³ 宮崎大・農・応用生物)	1Dp-12 根寄生植物 <i>Orobanchae aegyptiaca</i> の寄生段階別遺伝子発現解析 ○中野 綾香 ¹ ・千葉 信明 ¹ ・池上大輔 ¹ ・尾形 善之 ¹ ・青木 考 ¹ (大阪府立大・生環)
16:04	1Ap-13 ソバのルチン生合成に関わるラムノシルトランスフェラーゼの単離と機能解析 古謝 詠喜 ¹ ・丸山 佳紀 ¹ ・鈴木 秀幸 ² ・田口 悟朗 ¹ (信州大学・繊維・応生 ² かずさDNA研究所)	1Bp-13 枝変わり大果変異セイヨウナシにおけるマルチオミクス解析 ○白武 勝裕 ¹ ・五十鈴川 寛司 ² ・及川 彰 ^{3,4} ・高品 善 ² ・森 仁志 ¹ ・中林 亮 ⁴ ・軸丸 裕介 ⁸ ・花田 俊男 ⁵ ・奈島 賢児 ⁵ ・森本 玲奈 ¹ ・大塚 貴生 ⁴ ・鈴木 実 ⁴ ・加藤 茉莉 ¹ ・太田垣 駿吾 ¹ ・深尾 陽一朗 ⁶ ・尾形 善之 ⁷ ・村山 秀樹 ³ (名古屋大院・生命農 ² 山形県農総研セ ³ 山形大・農 ⁴ 理研CSRS ⁵ 農研機構・果樹研 ⁶ 奈良先端大院・バイオ ⁷ 大阪府大院・生命環境科学 ⁸ アジレント・テクノロジ(株))	1Cp-13 <i>Tacca chanterieri</i> の大量増殖について ○新美 善行 ¹ (県立広島大学・総合学術・生命システム科学)	1Dp-13 ネナシカズラ (<i>Convolvulaceae</i>) の寄生部位におけるトランスクリプトーム解析 ○池上 大輔 ¹ ・千葉 信明 ¹ ・大中 悠斗 ¹ ・尾形 善之 ¹ ・青木 考 ¹ (大阪府立大・生環)
16:16	1Ap-14 シロイヌナズナにおけるフェノール性低分子異物代謝に関するマロニル化酵素の研究 ○丸山 佳紀 ¹ ・渡邊 貴史 ¹ ・田口 悟朗 ¹ (信州大・繊維・応生)	1Bp-14 トマト雌蕊のオミックス解析を行うための微量サンプル調製法の確立 ○森 哲哉 ¹ ・羽尾 周平 ² ・小林 誠 ¹ ・西澤 具子 ¹ ・岡咲 洋三 ¹ ・小嶋 美紀子 ¹ ・榊原 均 ¹ ・有泉 亨 ² ・江面 浩 ² ・斉藤 和季 ^{1,3} ・草野 都 ^{1,4} (理研CSRS ² 筑波大・院・生命環境 ³ 千葉大・院・薬 ⁴ 横浜市大・木原生物研)		1Dp-14 Symbiosis genes are required for establish the infection of root-knot nematode ○宮澤 日子太 ¹ ・林 周平 ¹ ・寿崎 拓哉 ² ・川口 正代司 ² ・後藤 デレック ¹ (北海道大学・院・農 ² 基生研)

第2日目 9月11日(水)午前 (9:30 ~ 12:28)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
	二次代謝	オミクス解析	発生分化・形態形成	成長制御
9:30	2Aa-01 ニンニクのアリイン生合成に関与するフラビン含有モノオキシゲナーゼの機能解析 ○小沼 美沙都 ¹ ・吉本 尚子 ¹ ・水野 新也 ¹ ・上山 正恵 ² ・鎌田 庸宏 ² ・今井 真介 ² ・角 慎一郎 ³ ・恒吉 唯充 ³ ・齊藤 和季 ^{1,4} (1千葉大院・薬 ² ハウス食品 ³ 湧永製薬 ⁴ 理研・CSRS)	2Ba-01 LC-MSを用いた植物脂質メタボローム解析による新規機能物質発見と生合成遺伝子同定への応用 ○岡咲 洋三 ¹ ・高野 耕司 ² ・齊藤 和季 ^{1,2} (1理研CSRS ² 千葉大・薬)	2Ca-01 シロイヌナズナの葉の発生分化におけるAS1-AS2によるETTIN遺伝子のgene body DNAメチル化の制御機構 ○伊藤 卓馬 ¹ ・VIAL-PRADEL Simon ¹ ・高田 絵莉 ¹ ・中川 彩美 ¹ ・岩崎 まゆみ ¹ ・町田 泰則 ² ・町田 千代子 ¹ (1中部大院・応用生物 ² 名古屋大院・理・生命理学)	2Da-01 リン酸欠乏に应答したイネの葉の老化調節機構の解明 ○山田 雄介 ¹ ・梶野 淳 ² ・加藤 啓輔 ² ・古澤 綜也 ² ・下村 講一郎 ¹ ・山口 信次郎 ³ ・梅原 三貴久 ¹ (1東洋大学・院・生命科学 ² 東洋大学・生命科学・応用生物 ³ 東北大学・院・生命科学)
9:42	2Aa-02 クチナシのクロシン生合成に関与するアルデヒド酸化酵素の機能解析 ○鮎川 美奈子 ¹ ・木村 雪乃 ¹ ・永利 麻衣 ² ・寺坂 和祥 ^{1,2} ・加藤 信樹 ^{1,2} ・樋口 恒彦 ^{1,2} ・水上 元 ^{1,2} (1名市大・薬 ² 名市大院・薬)	2Ba-02 Allium属植物における超高性能質量分析計を用いた含硫黄代謝物分析 ○中林 亮 ¹ ・澤田 有司 ¹ ・山田 豊 ¹ ・鈴木 実 ¹ ・平井 優美 ¹ ・櫻井 哲也 ¹ ・齊藤 和季 ^{1,2} (1理研CSRS ² 千葉大・院・薬)	2Ca-02 植物細胞分裂におけるC24-ethylsterolの生理機能の解明 ○中本 雅俊 ¹ ・太田 大策 ¹ (1大阪府立大学院・生命環境・応用生命)	2Da-02 栄養欠乏に应答する新規ストリゴラクトン関連遺伝子の探索 菊池 沙安 ¹ ・○梅原 三貴久 ² (1東洋大学・生命科学・応用生物 ² 東洋大学・院・生命科学)
9:54	2Aa-03 ニガウリ由来の4種類のoxidosqualene環化酵素(OSC)遺伝子の機能解析 ○高瀬 翔平 ¹ ・解良 康太 ² ・平尾 侑也 ¹ ・永島 良樹 ² ・細内 敦 ² ・柴田 大輔 ² ・久城 哲夫 ¹ ・鈴木 秀幸 ² (1明治大学・農・農芸化学 ² かずさDNA研究所・産業応用技術研)	2Ba-03 シュウ酸合成阻害エゾノギシのメタボローム解析 ○宮城 敦子 ¹ ・内宮 博文 ² ・川合 真紀 ^{1,2} (1埼玉大学・院・理工 ² 埼玉大学・環境センター)	2Ca-03 道管二次細胞壁形成に関わる新奇因子の探索 ○竹中 悠人 ¹ ・川邊 陽文 ¹ ・大谷 美沙都 ² ・加藤 晃 ¹ ・米田 新 ¹ ・出村 拓 ^{1,2} (1奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科 ² 理研環境資源科学研究センター)	2Da-03 シロイヌナズナ切断花茎の組織癒合におけるジャスモン酸とRAP2.6L転写因子の働き ○朝比奈 雅志 ¹ ・清水 美甫 ² ・Pitaksaringkarn Weerask ² ・山口 信次郎 ³ ・神谷 勇治 ¹ ・軸丸 裕介 ^{1,4,5} ・山根 久和 ¹ ・横田 孝雄 ¹ ・佐藤 忍 ² (1帝京大・理工・バイオ ² 筑波大・生命環境 ³ 北大・生命科学 ⁴ 理研 ⁵ アジレントテクノロジー)
10:06	2Aa-04 紫ウコン(ガジュツ)由来のセスキテルペン合成酵素遺伝子の構造と機能解析 八反 順一郎 ¹ ・南出 絵美子 ¹ ・平良 友希 ¹ ・○三沢 典彦 ¹ (1石川県大・生資研)	2Ba-04 統合メタボローム技術を利用したmQTL解析 ○澤田 有司 ¹ ・佐藤 心郎 ¹ ・山田 豊 ¹ ・坂田 あかね ¹ ・平井 優美 ^{1,2} (1理研・CSRS ² JST・CREST)	2Ca-04 ケミカルジェネティクスを用いた木部道管形成の解明 ○家門 絵理 ¹ ・米田 新 ¹ ・出村 拓 ^{1,2} (1奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科)	2Da-04 成長制御に関与するシロイヌナズナMAP3Kδ4の下流経路の検索 ○松岡 大介 ¹ ・岩田 恵理子 ¹ ・南森 隆司 ^{1,2} (1神戸大院・農 ² 神戸大・遺伝子実験センター)
10:18	2Aa-05 オウレン液胞膜に局在するベルリン輸送体の解析 ○高梨 功次郎 ¹ ・山田 泰之 ² ・佐藤 文彦 ² ・矢崎 一史 ¹ (1京大・生存研 ² 京大院・生命科学)	2Ba-05 アイリスマイクロアレイのデザインとジャーマンアイリス培養細胞での時系列発現解析 ○尾形 善之 ¹ ・細内 敦 ² ・渡邊 弘法 ³ ・青木 俊夫 ³ ・柴田 大輔 ² ・明石 智義 ³ ・鈴木 秀幸 ² (1大阪府立大学・生命環境 ² かずさDNA研究所・産業応用技術研 ³ 日本大学・生物資源)	2Ca-05 木部細胞分化におけるメタカスパーゼの発現 ○三浦 光司 ¹ ・出村 拓 ² ・南 淳 ³ (1鶴岡高専専攻科・物質 ² 奈良先端大・バイオ ³ 鶴岡高専・物質)	2Da-05 バイオマス増産を示すプロテインホスファターゼ2C過剰発現シロイヌナズナの器官・組織レベルの表現型解析 ○近藤 聡 ¹ ・杉本 広樹 ² ・田中 倫子 ² ・村本 伸彦 ² ・服部 悦子 ¹ ・小川 健一 ³ ・光川 典宏 ² ・大音 徳 ¹ (1トヨタ自動車・バイオラボ ² 豊田中研・バイオ研 ³ 岡山生物研)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
10:35	2Aa-06 アミン酸化酵素MPO1とDAO(MPO2)の機能と分子進化 Maliwan Naconsie ¹ ・加藤 啓太 ¹ ・〇庄司 翼 ¹ ・橋本 隆 ¹ (1奈良先端大 バイオ)	2Ba-06 シロイヌナズナにおける重イオンビーム誘発突然変異の全ゲノム解析 〇平野 智也 ^{1,2} ・風間 裕介 ¹ ・石井 公太郎 ³ ・大部 澄江 ³ ・白川 侑希 ³ ・阿部 知子 ^{1,3} (1理研・イノベーションセンター・2東京電機大学・院・先端研・3理研・仁科センター)	2Ca-06 オオミズゴケの透明細胞分化に関わる分子メカニズムの解明 〇寺田 志織 ¹ ・XU BO ¹ ・米田 新 ¹ ・加藤 晃 ¹ ・出村 拓 ^{1,2} (1奈良先端・バイオ・2RIKEN・BMEP)	2Da-06 <i>myo</i> -イノシトール-3-リン酸合成酵素遺伝子高発現イネにおける収量増加について 〇栗飯原 ひとみ ¹ ・楠田 弘毅 ¹ ・古賀 亘 ¹ ・吉田 薫 ¹ (1東大・農学生命科学)
10:47	2Aa-07 パラゴムノキのシス型プレニル鎖延長酵素群の機能解析 〇青木 裕一 ¹ ・鈴木 一樹 ¹ ・高橋 征司 ¹ ・中山 亨 ¹ (1東北大学・工・バイオ工学)	2Ba-07 ソルガム完全長cDNAの整備と、配列解析による新規転写単位の同定及びソルガムゲノムブラウザ (Sorgabase) の構築 嶋田 勢津子 ¹ ・近藤 (栗山) 朋子 ¹ ・蒔田 由布子 ² ・望月 芳樹 ² ・下山 紗代子 ² ・平川 英樹 ³ ・佐藤 修正 ³ ・豊田 哲郎 ² ・〇松井 南 ¹ (1理研環境資源セ・バイオマス工学部門・2理研情報基盤セ・3かずさDNA研)	2Ca-07 チュウゴクザサにおけるFDホモログの機能解析 〇長田 充洋 ¹ ・坂本 正弘 ¹ (1京大院農・地域環境)	2Da-07 ポカシ肥料中から単離された発根促進物質フェニル乳酸はトリプトファンと協働作用を示す 〇真木 祐子 ¹ ・副島 洋 ¹ ・北村 亨 ¹ ・杉山 民二 ² ・綿引 雅昭 ³ ・山口 淳二 ³ (1雪印種苗・技術研究所・2明治大学・農・農芸化学・3北海道大学・理・生物科学)
10:59	2Aa-08 アスパラガス <i>cis</i> -ヒノキレジンオール合成酵素βサブユニットの結晶化 母利 大地 ¹ ・〇鈴木 史朗 ^{1,2} ・山村 正臣 ¹ ・服部 武文 ³ ・三上 文三 ⁴ ・梅澤 俊明 ^{1,2} (1京都在・生存研・2京都大・ISS・3徳島大院・SAS・4京大院農)	2Ba-08 パラゴムノキ <i>Hevea brasiliensis</i> ゲノム塩基配列解析 〇中村 保一 ¹ ・長崎 英樹 ¹ ・谷澤 靖洋 ¹ ・稲見 圭悟 ² ・森 徹平 ² ・渡辺 訓江 ² (1国立遺伝学研究所・2プリヂストン・中央研究所)	2Ca-08 気孔にガス交換機能を付与する鍵転写因子SCAP1 〇衾 淳太郎 ¹ ・森脇 宏介 ¹ ・小西 美穂子 ² ・横山 隆亮 ³ ・中野 利彬 ¹ ・楠見 健介 ¹ ・橋本 美海 ¹ ・西谷 和彦 ³ ・柳澤 修一 ² ・射場 厚 ¹ (1九州大院・理・2東大・生物生産工学研究センター・3東北大院・生命科学)	その他
	有用物質生産	一次代謝		2Da-08 オーキシン高感受性遺伝子の単離と解析 〇長瀬 泰亮 ¹ ・高瀬 尚文 ¹ ・關谷 次郎 ¹ ・プリエト ラファエル ¹ (1京都学園大・バイオ)
11:11	2Aa-09 <i>Cucumber mosaic virus</i> (CMV) ベクターを基としたアグロインフェクションシステムの開発 〇福澤 徳徳 ¹ ・一町田 紀子 ¹ ・増田 税 ² ・松村 健 ¹ (1産総研・生物プロセス・2北大院農)	2Ba-09 植物の低硝酸化に伴う塩化物イオンの挙動について 〇坂倉 有里奈 ¹ ・石川 一人 ² ・児玉 浩明 ¹ (1千葉大学大学院融合科学研究科・2千葉大学大学院園芸学研究所)	2Ca-09 生殖器官と未熟種子のクチクラ形成を制御する転写因子の解析 〇大島 良美 ¹ ・鳴海 貴子 ² ・四方 雅仁 ³ ・小山 知嗣 ⁴ ・大坪 憲弘 ⁵ ・高木 優 ^{1,6} ・光田 展隆 ¹ (1産総研・生物プロセス・2香川大・農・3生物研・植物科学・4サントリー・生命科学財団・5農研機構・花き研・6埼玉大・環境科学)	2Da-09 ELM1/ELM2非依存型ミトコンドリア分裂は低温で一時的に誘導される 〇有村 慎一 ¹ ・栗栖 里奈 ¹ ・角谷 直樹 ¹ ・片山 健太 ¹ ・堤 伸浩 ¹ (1東京大学・大学院農学生命科学研究科)

第2日目 9月11日(水)午前 (9:30 ~ 12:28)

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
11:23	<p>2Aa-10 ヒトIL-7のイネ種子胚乳中での産生によって誘導される小胞体ストレス ○高岩 文雄¹・工藤 恭子¹・太田賢¹・楊 麗軍¹・若佐 雄也¹ (¹農業生物資源研・組換えセンター・機能性作物)</p>	<p>2Ba-10 環境ストレスに応答したシロイヌナズナ葉の脂質組成の解析 ○東 泰弘¹・岡咲 洋三¹・明賀史純¹・篠崎 一雄¹・斉藤 和季^{1,2} (¹理研CSRS・²千葉大院・薬)</p>	<p>2Ca-10 葉の老化進行におけるERF転写抑制因子制御ネットワークの解明 ○小山 知嗣^{1,2}・新居 遥^{2,3}・光田展隆⁴・太田 賢⁵・北島 佐紀人³・高木 優^{4,6}・佐藤 文彦² (¹サントリー生科財団・生有研・²京大院・生命科学・³京都工繊大・工学科学・⁴産総研・生物プロセス・⁵農研機構・生物資源研・⁶埼玉大)</p>	<p>2Da-10 炭素-窒素バランスがバイオマスに与える影響の数理モデリングによる評価 ○SRIYUDTHSAK Kansuporn^{1,2,3}・SAVAGEAU A. Michael⁴・平井 優美^{1,2,3} (¹理研CSRS・²理研PSC・³JST・CREST・⁴UC Davis)</p>
11:40	<p>2Aa-11 室内簡栽培によるウラルカンゾウの優良系統の選抜と解析 ○林 宏明¹・藤井 勲¹ (¹岩手医科大学・薬・天然物化学)</p>	<p>休憩時間 (12分間)</p>	<p>その他</p> <p>2Ca-11 リーフディスクを利用した簡便なアグロインフィルトレーション法 ○松尾 幸毅¹・松村 健¹ (¹産総研・生物プロセス)</p>	<p>2Da-11 易糖化性を示すイネの探索 ○寺村 浩¹・平野 恒²・松田 史生³・荻野 千秋¹・佐塚 隆志²・北野 英己²・近藤 昭彦¹ (¹神大院・工・²名大・生物センター・³阪大院・情報)</p>
11:52	<p>2Aa-12 遺伝子改変によるスクアレン蓄積緑藻の作出 ○木平 成子¹・梶川 昌孝¹・福澤秀哉¹ (¹京大院・生命)</p>	<p>2Ba-12 C3、C4光合成型相互転換植物 <i>Eleocharis vivipara</i> の成長点におけるトランスクリプトーム解析 ○原田 大士朗¹・坂本 智昭²・倉田 哲也²・大和 勝幸¹・泉井 桂³・秋田 求¹ (¹近大院・生物工・²奈良先端大・バイオ・植物グローバル・³近大・先端技術総合研究所)</p>	<p>2Ca-12 遺伝子組換え植物工場の排水を対象としたフィルター排水処理システムの開発 ○澤田 裕樹¹・佐藤 進¹・高島雪絵¹・早雲 まり子¹・松村 健²・田林 紀子² (¹鹿島建設株式会社・²独立行政法人産業技術総合研究所)</p>	<p>2Da-12 RNAサイレンシングにとまなうスプライシングへの干渉作用について ○申 美来¹・松本 貴嗣²・華岡 光正³・今井 美咲²・飯島 健⁴・児玉 浩明¹ (¹千葉大 融合科学・²東京農大 ゲノム解析セ・³千葉大 園芸・⁴東京農大 応生科)</p>
12:04	<p>2Aa-13 微生物の代謝工学による有用モノテルペノイド大量生成系の構築 ○末永 美樹¹・萬年 一斗¹・沓川諒¹・古谷 昌弘²・郡 悌之²・岩佐航一郎²・下山 武文¹・高橋 征司¹・中山 亨¹ (¹東北大学院・工・バイオ工学・²積水化学 R & Dセンター)</p>	<p>2Ba-13 ミトコンドリアにおける膜脂質代謝とその変化が膜形態のダイナミクスに与える影響 ○片山 健太^{1,2,3,4}・藤岡-川本 真理⁴・和田 元^{3,4}・有村 慎一¹・堤伸浩¹ (¹東京大学・院農・²学振・³東京大学・院理・⁴東京大学・院総合文化)</p>		<p>2Da-13 ゲノム情報に基づく植物データベースの統合 -Plant Genome DataBase Japan (PGDBj)- ○浅水 恵理香¹・市原 寿子¹・平川 英樹¹・中谷 明弘²・中村 保一¹・田畑 哲之¹ (¹かずさDNA研・植物ゲノム・²新潟大・研究推進・超域学術)</p>

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
12:16	<p>2Aa-14 合理的代謝フロースイッチングによる物質生産：タケ懸濁細胞におけるヒドロキシ桂皮酸アミド合成経路の改変 ○野村 泰治¹・萩田 信二郎¹・加藤 康夫¹ (¹富山県大・生物工学研究センターおよび工・生物工)</p>			<p>2Da-14 バイオエネルギー作物・ソルガムのテラーメード育種技術開発を目指したRAD-Seqによる高速ジェノタイピング手法の検討 ○大柳 一^{1,2,3}・小林 正明^{1,3}・豊島裕美^{1,3}・高野 知之^{1,3}・高梨 秀樹^{3,4}・永野 惇^{5,6}・田井中 均⁴・徳永 毅^{3,7}・佐塚 隆志^{3,8}・岩田 洋佳^{3,4}・堤 伸浩^{3,4}・矢野 健太郎^{1,3} (¹明治大学・農学部・²三菱スペース・ソフトウェア株式会社・つくば事業部・³科学技術振興機構・CREST・⁴東京大学・大学院農学生命科学研究科・⁵京都大学・生態学研究センター・⁶科学技術振興機構・さきがけ・⁷株式会社アースノート・⁸名古屋大学・生物機能開発利用研究センター)</p>